
Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rsk-1/2/3/4 (fosfoSer221/227/S218/232)**Nº de Catálogo: APRab05394**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	85kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RPS6KA1 RPS6KA1; MAPKAPK1A; RSK1; Ribosomal protein S6 kinase alpha-1; S6K-alpha-1; 90 kDa
Nombres Alternativos	ribosomal protein S6 kinase 1; p90-RSK 1; p90RSK1; p90S6K; MAP kinase-activated protein kinase 1a; MAPK-activated protein kinase 1a; MAPKAP kinase 1a; MAPKAP
ID del Gen	6195/6197/6196/27330
ID SwissProt	Q15418/P51812/Q15349/Q9UK32
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de RSK1/2/3/4 humano

alrededor del sitio de fosforilación de Ser221/227/S218/232. Rango de AA: 191-240.

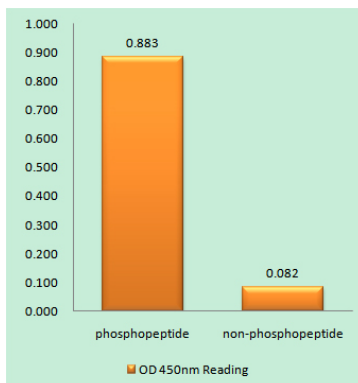
Antecedentes

Proteína ribosomal S6 quinasa A1 (RPS6KA1) Homo sapiens. Este gen codifica un miembro de la familia RSK (quinasa ribosomal S6) de serina/treonina quinasas. Esta quinasa contiene dos dominios catalíticos de quinasa no idénticos y fosforila diversos sustratos, incluyendo miembros de la vía de señalización de la quinasa activada por mitógenos (MAPK). La actividad de esta proteína se ha implicado en el control del crecimiento y la diferenciación celular. Se han caracterizado variantes de empalme transcripcional alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína., precaución: La secuencia mostrada aquí se deriva de un proceso de análisis automático de Ensembl y debe considerarse como datos preliminares., cofactor: magnesio., regulación enzimática: se activa mediante múltiples fosforilaciones en residuos de treonina y serina., función: serina/treonina quinasa que podría mediar la activación del factor de transcripción CREB inducida por factores de crecimiento y estrés., PTM: autofosforilada en Ser-380, como parte del proceso de activación., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia de quinasas S6. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de AGC-quinasa. Similitud: Contiene dos dominios de proteína quinasa. Subunidad: Forma un complejo con ERK1 o ERK2 en células quiescentes. Se disocia transitoriamente tras estimulación mitogénica.

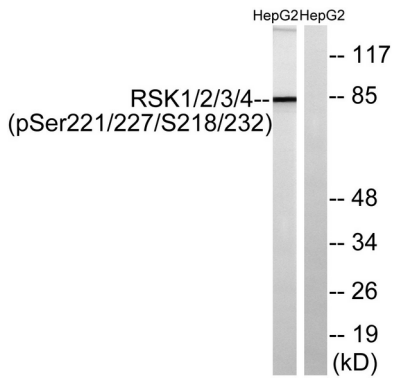
Área de Investigación

Regula la angiogénesis; receptor de insulina; receptor de células B; AMPK

Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo RSK1/2/3/4 (Fosfo-Ser221/227/S218/232).



Análisis de Western blot de lisados de células HepG2 tratadas con EGF 200 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo RSK1/2/3/4 (Phospho-Ser221/227/S218/232). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.