

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Rac GAP1 (fosfo Ser387)****Nº de Catálogo: APRab05324**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata, Mono
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	72kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	RACGAP1
<b>Nombres Alternativos</b>	RACGAP1; KIAA1478; MGCRCACGAP; Rac GTPase-activating protein 1; Male germ cell RacGap; MgcRacGAP; Protein CYK4 homolg; CYK4; HsCYK-4
<b>ID del Gen</b>	29127.0
<b>ID SwissProt</b>	Q9H0H5
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la proteína activadora de la GTPasa humana alrededor del sitio de fosforilación de Ser387. Rango de AA: 353-402.

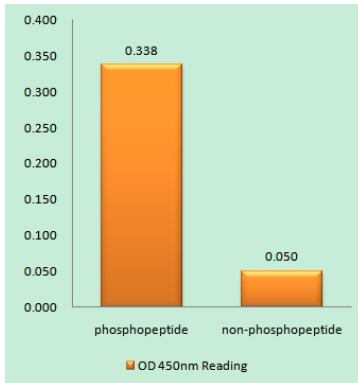
## Antecedentes

Este gen codifica una proteína activadora de GTPasas (GAP), componente del complejo central de la husillolina. Esta proteína se une a las formas activadas de las GTPasas Rho y estimula la hidrólisis de GTP, lo que resulta en la regulación negativa de las señales mediadas por Rho. Esta proteína desempeña un papel regulador en la citocinesis, el crecimiento celular y la diferenciación. Se han encontrado variantes de transcripción con empalme alternativo para este gen. Existe un pseudogén para este gen en el cromosoma 12. [Proporcionado por RefSeq, febrero de 2016], dominio: La región en espiral es indispensable para la localización en el cuerpo medio durante la citocinesis., función: Esencial para las primeras etapas de la embriogénesis y puede desempeñar un papel en los pasos dependientes de los microtúbulos en la citocinesis. Desempeña un papel clave en el control del crecimiento celular y la diferenciación de las células hematopoyéticas a través de mecanismos distintos a la regulación de la actividad de la GTPasa Rac. También participa en la regulación de los procesos relacionados con el crecimiento en adipocitos y mioblastos. Podría participar en la regulación de la espermatogénesis y en la vía RACGAP1 en la proliferación neuronal. Muestra una fuerte actividad de GAP (activación de GTPasas) hacia CDC42 y RAC1, y menor hacia RHOA. Es necesaria para el inicio de la ingresión del surco de segmentación mediante la regulación de ECT2 y para el ensamblaje del anillo contráctil. Podría desempeñar un papel en la regulación de la actividad cortical a través de RHOA durante la citocinesis. Podría participar en la regulación del transporte de sulfato en células germinales masculinas. Inducción: La expresión se regula a la baja durante la diferenciación de macrófagos de las células HL-60. PTM: Se fosforila en múltiples sitios del cuerpo medio durante la citocinesis. La fosforilación por AURKB en SER-387 en el cuerpo medio es, al menos en parte, responsable de ejercer su actividad GAP latente hacia RhoA. Similitud: Contiene un dedo de zinc de tipo éster de forbol/DAG. Similitud: Contiene un dominio Rho-GAP. Ubicación subcelular: Durante la interfase, se localiza en el núcleo y el citoplasma junto con los microtúbulos. En anafase, se redistribuye al huso central y, en la telofase y la citocinesis, al cuerpo medio. Se colocaliza con RHOA en el anillo contráctil durante la citocinesis. Se colocaliza con RND2 en las vesículas proacrosómicas derivadas del aparato de Golgi y el acrosoma. Subunidad: Se asocia con la alfa-, beta- y gamma-tubulina y los microtúbulos. Interactúa a través de su dominio Rho-GAP con RND2. Se asocia con AURKB durante la fase M. Interactúa con PRC1 a través de su dominio Rho-GAP y su región básica. La interacción con PRC1 inhibe su actividad GAP hacia CDC42 in vitro, lo cual puede ser necesario para mantener la morfología normal del huso. Se asocia con ECT2 en anafase y durante la citocinesis. Interactúa con SLC26A8 a través de su extremo N-terminal. Especificidad tisular: Altamente expresado en testículos, timo y placenta. Expresado en niveles más bajos en el bazo y los linfocitos de sangre periférica. En testículos, la expresión se limita a las células germinales, encontrándose los niveles más altos en los espermatoцитos. La expresión se regula de forma dependiente del ciclo celular y alcanza su pico máximo durante la fase G2/M.

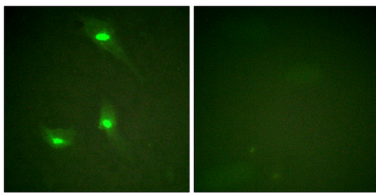
## Área de Investigación

-

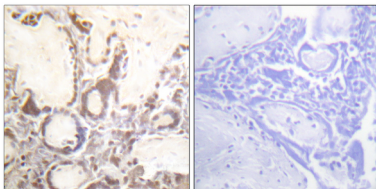
## Datos de Imagen



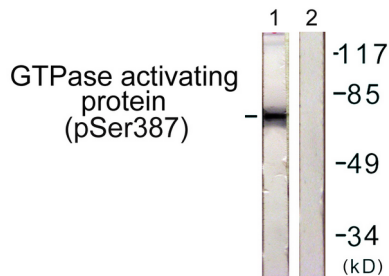
Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo de la proteína activadora de GTPasa (Fosfo-Ser387).



Análisis de inmunofluorescencia de células HeLa mediante el anticuerpo contra la proteína activadora de GTPasa (Fosfo-Ser387). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosforilado.



Análisis inmunohistoquímico de placenta humana incluida en parafina, utilizando el anticuerpo contra la proteína activadora de GTPasa (Fosfo-Ser387). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosforilado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COS7, utilizando el anticuerpo contra la proteína activadora de GTPasa (Fosfo-Ser387). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.