

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo p300 (fosfo Ser89)**Nº de Catálogo:** APRab05152

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	EP300
Nombres Alternativos	EP300; P300; Histone acetyltransferase p300; p300 HAT; E1A-associated protein p300
ID del Gen	2033.0
ID SwissProt	Q09472
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del p300 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser89. Rango de AA: 55-104.

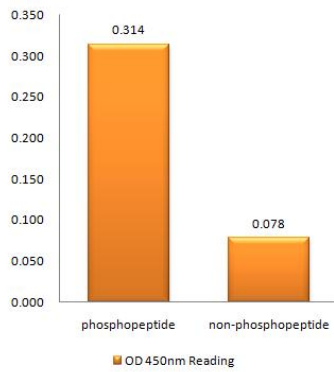
Antecedentes

Proteína de unión a E1A p300 (EP300) Homo sapiens Este gen codifica la proteína coactivadora transcripcional p300 celular asociada a E1A del adenovirus. Funciona como histona acetiltransferasa que regula la transcripción a través de la remodelación de la cromatina y es importante en los procesos de proliferación y diferenciación celular. Media la regulación del gen cAMP uniéndose específicamente a la proteína CREB fosforilada. Este gen también se ha identificado como un coactivador de HIF1A (factor inducible por hipoxia 1 alfa) y, por lo tanto, desempeña un papel en la estimulación de genes inducidos por hipoxia como VEGF. Los defectos en este gen son una causa del síndrome de Rubinstein-Taybi y también pueden desempeñar un papel en el cáncer epitelial. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: Acetil-CoA + histona = CoA + acetilhistona., enfermedad: Las aberraciones cromosómicas que afectan a EP300 pueden ser causa de leucemias mieloides agudas. Translocación t(8;22)(p11;q13) con MYST3., enfermedad: Los defectos en EP300 son causa del síndrome de Rubinstein-Taybi (RSTS) [MIM:180849]. El RSTS es un trastorno autosómico dominante que se caracteriza por anomalías craneofaciales, pulgares anchos, dedos gordos de los pies anchos, retraso mental y propensión al desarrollo de neoplasias malignas., enfermedad: Los defectos en EP300 pueden influir en el cáncer epitelial., función: Actúa como histona acetiltransferasa y regula la transcripción mediante la remodelación de la cromatina. Acetila las cuatro histonas centrales en los nucleosomas. La acetilación de histonas proporciona una etiqueta epigenética para la activación transcripcional. Se une a la proteína E1A del adenovirus y podría estar implicada en su capacidad transformadora. Media la regulación del gen AMPc uniéndose específicamente a la proteína CREB fosforilada. En caso de infección por VIH-1, es reclutada por la proteína viral Tat. Regula la actividad transactivadora de Tat y puede ayudar a inducir la remodelación de la cromatina de los genes provirales., información en línea: entrada P300/CBP, PTM: acetilado en Lys en hasta 17 posiciones por autocatálisis intermolecular., PTM: citrulinado en Arg-2142 por PADI4, que perjudica la metilación por CARM1 y promueve la interacción con NCOA2/GRIP1., PTM: metilado en Arg-580 y Arg-604 en el dominio KIX por CARM1, que bloquea la asociación con CREB, inhibe la señalización de CREB y activa la respuesta apoptótica. También metilado en Arg-2142 por CARM1, lo que altera la interacción con NCOA2/GRIP1. PTM: Fosforilado. Similitud: Contiene un dominio bromo. Similitud: Contiene un dominio KIX. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo ZZ. Similitud: Contiene dos dedos de zinc tipo TAZ. Subunidad: Interactúa con CREB1 fosforilado (por similitud). Interactúa con DTX1, EID1, ELF3, FEN1, LEF1, NCOA1, NCOA6, NR3C1, PCAF, PELP1, PRDM6, SPIB, SRY, TCF7L2, TP53, SRCAP, TTC5, JMY y TRERF1. El dominio TAZ tipo 1 interactúa con HIF1A. Probablemente forma parte de un complejo con HIF1A y CREBBP. Parte de un complejo que contiene CARM1 y NCOA2/GRIP1. Interactúa con ING4, interacción que puede ser indirecta. Interactúa con ING5. Interactúa con la región C-terminal de CITED4. Interactúa con Tax de HTLV-1 y p30II. Interactúa con Tat del VIH-1 y acetila dicha proteína.

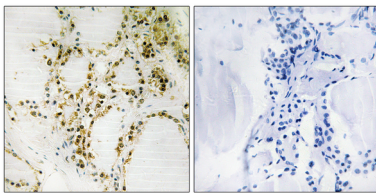
Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN; WNT; CÉLULA WNT-T; β -catenina; Acetilación de proteínas

Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo p300 (Fosfo-Ser89)



Análisis inmunohistoquímico de glándula tiroides humana incluida en parafina, utilizando el anticuerpo p300 (Phospho-Ser89). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosforilado.