

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo NFATc4 (fosfo Ser168/S170)
Nº de Catálogo: APRab05087

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	140kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	NFATC4
Nombres Alternativos	NFATC4; NFAT3; Nuclear factor of activated T-cells; cytoplasmic 4; NF-ATc4; NFATc4; T-cell transcription factor NFAT3; NF-AT3
ID del Gen	4776.0
ID SwissProt	Q14934
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del NFAT3 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser168 y Ser170. Rango de AA: 136-185.

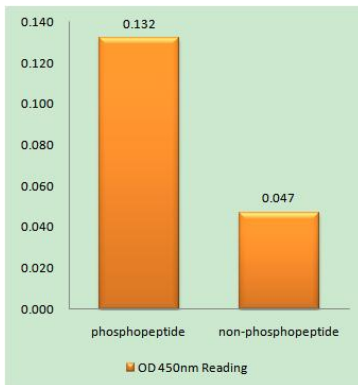
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas del factor nuclear de células T activadas (NFAT). La proteína codificada forma parte de un complejo de transcripción que se une al ADN. Este complejo consta de al menos dos componentes: un componente citosólico preexistente que se transloca al núcleo tras la estimulación del receptor de células T y un componente nuclear inducible. Las proteínas NFAT son activadas por la calcineurina, una fosfatasa dependiente de calmodulina. La proteína codificada interviene en la expresión inducible de genes de citocinas en células T, especialmente en la inducción de interleucina-2 e interleucina-4. El empalme alternativo da lugar a múltiples variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, enero de 2014], dominio: El dominio de similitud Rel (RSD) permite la unión al ADN y las interacciones cooperativas con factores AP1., función: Participa en la expresión inducible de genes de citocinas en células T, especialmente en la inducción de IL-2 e IL-4. Reprimido transcripcionalmente por los receptores de estrógeno; esta inhibición es potenciada aún más por el estrógeno. Aumenta la actividad transcripcional de PPAR γ y tiene un papel directo en la diferenciación de los adipocitos. Puede desempeñar un papel importante en la diferenciación de los miotubos. Puede desempeñar un papel crítico en el desarrollo cardíaco y la hipertrofia. Puede desempeñar un papel en la apoptosis inducida por deaferenciación de neuronas sensoriales.,PTM:Fosforilado por NFATC-quinasas; desfosforilado por calcineurina. Fosforilado en Ser-168 y Ser-170 por FRAP1, IRAK1, MAPK7 y MAPK14, en Ser-213 y Ser-217 por MAPK8 y MAPK9, y en Ser-289 y Ser-344 por RPS6KA3. Fosforilado por GSK3B.,PTM:Ubiquitinado, lo que lleva a su degradación por el proteasoma y a una actividad transcripcional reducida. La ubiquitinación y la reducción de la actividad transcripcional se pueden facilitar aún más mediante la fosforilación dependiente de GSK3B. La unión de la poliubiquitina se realiza principalmente a través de 'Lys-48'. Similitud: Contiene un dominio IPT/TIG. Similitud: Contiene un dominio RHD (similar a Rel). Ubicación subcelular: Citoplásmica para la forma fosforilada y nuclear tras la activación, controlada por la desfosforilación mediada por calcineurina. Se cree que la rápida salida nuclear de NFATC es un mecanismo mediante el cual las células distinguen entre señales de calcio sostenidas y transitorias. La localización subcelular de NFATC desempeña un papel clave en la regulación de la transcripción génica. Subunidad: Miembro del complejo de transcripción multicomponente NFATC, que consta de al menos dos componentes: un componente citoplasmático preexistente, NFATC2, y un componente nuclear inducible, NFATC1. Otros miembros, como NFATC4, NFATC3 o miembros de la familia de la proteína activadora 1, MAF, GATA4 y Cbp/p300, también pueden unirse al complejo. Las proteínas NFATC se unen al ADN como monómeros. Interactúan con CREBBP, GATA4, IRAK1, MAPK8, MAPK9 y RPS6KA3. Especificidad tisular: Altamente expresada en placenta, pulmón, riñón, testículos y ovario. Débilmente expresada en bazo y timo. No expresada en linfocitos de sangre periférica. Detectada en hipocampo.

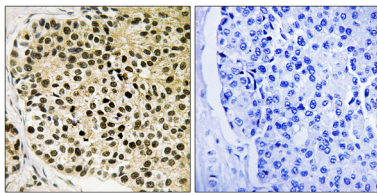
Área de Investigación

Crecimiento MAPK_ERK; Proteína MAPK_G; WNT; Guía axónica de células T-WNT; VEGF; Citotoxicidad mediada por células asesinas naturales; Receptor de células T; Antígeno de células B;

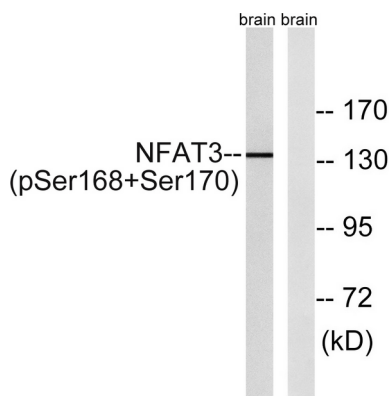
Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo NFAT3 (Fosfo-Ser168+Ser170)



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo NFAT3 (Fosfo-Ser168+Ser170). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.



Análisis de Western blot del anticuerpo NFAT3 (Fosfo-Ser168+Ser170). El carril derecho está bloqueado con el péptido NFAT3 (Fosfo-Ser168+Ser170).