

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Myt 1 (fosfo Ser83)****Nº de Catálogo: APRab05061**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	IHC, ICC/IF, ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
<b>Peso Molecular</b>	-

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	PKMYT1
<b>Nombres Alternativos</b>	PKMYT1; MYT1; Membrane-associated tyrosine- and threonine-specific cdc2-inhibitory kinase; Myt1 kinase
<b>ID del Gen</b>	9088.0
<b>ID SwissProt</b>	Q99640
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del MYT1 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser83. Rango de AA: 49-98.

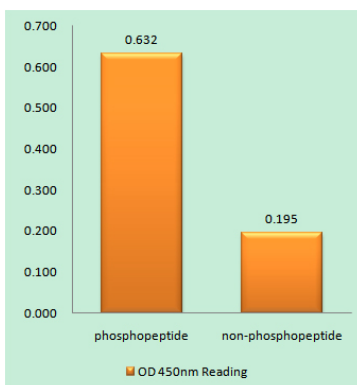
## Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de las serina/treonina proteína quinasas. La proteína codificada es una quinasa asociada a la membrana que regula negativamente la transición G2/M del ciclo celular mediante la fosforilación e inactivación de la quinasa dependiente de ciclina 1. La actividad de la proteína codificada está regulada por la quinasa tipo polo 1. Se han observado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican múltiples isoformas para este gen. [proporcionado por RefSeq, mayo de 2012], actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína., dominio: El motivo de asociación a la membrana es esencial para la localización en la membrana del aparato de Golgi. Según algunos autores, es un dominio transmembrana; sin embargo, no se ha demostrado la existencia de una región transmembrana., regulación enzimática: Regulada negativamente por hiperfosforilación durante la mitosis. La forma hiperfosforilada no se asocia con los complejos CCNB1-CDC2. La proteína quinasa PLK1 puede ser necesaria para la fosforilación mitótica. Función: Actúa como regulador negativo de la entrada en mitosis (transición de G2 a M) mediante la fosforilación de la quinasa cdc2, específicamente cuando cdc2 forma complejos con ciclinas. Media la fosforilación de cdc2 predominantemente en 'Thr-14'. También participa en la fragmentación del aparato de Golgi. Puede estar implicada en la fosforilación de cdc2 en 'Tyr-15' en menor grado; sin embargo, la actividad de la tirosina quinasa no está clara y podría ser indirecta. Puede ser una diana posterior de la vía de señalización Notch durante el desarrollo ocular. PTM: Autofosforilada. Fosforilada por complejos CDC2-CCNB1 en residuos de serina y treonina indefinidos. La fosforilación por los complejos CDC2-CCNB1 puede inhibir la actividad catalítica. Precaución: ADNc quimérico. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Ser/Thr. Subfamilia WEE1. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Subunidad: Interactúa con el complejo CDC2-CCNB1. También puede interactuar con PIN1 cuando es fosforilado por CDC2-CCNB1.

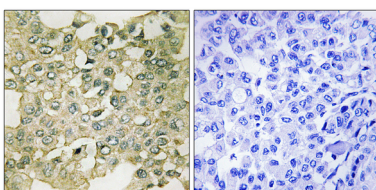
## Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN; Meiosis de ovocitos; Maduración de ovocitos mediada por progesterona;

## Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo MYT1 (Fosfo-Ser83)



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MYT1 (Phospho-Ser83). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.

