
Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MSK1 (fosfo Ser376)**Nº de Catálogo: APRab05042**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
Peso Molecular	90kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RPS6KA5 RPS6KA5; MSK1; Ribosomal protein S6 kinase alpha-5; S6K-alpha-5; 90 kDa ribosomal
Nombres Alternativos	protein S6 kinase 5; Nuclear mitogen- and stress-activated protein kinase 1; RSK-like protein kinase; RSKL
ID del Gen	9252.0
ID SwissProt	O75582
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de MSK1 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser376. Rango de AA: 343-392.

Antecedentes

Actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Parece activarse mediante múltiples fosforilaciones en residuos de treonina y serina. ERK1/2 y MAPK14/p38-alfa podrían participar en este proceso. Función: Serina/treonina quinasa, necesaria para la fosforilación inducida por mitógeno o estrés de los factores de transcripción CREB (proteína de unión al elemento de respuesta a AMPc) y ATF1 (factor de transcripción activador 1). Papel esencial en el control de la actividad transcripcional de RELA en respuesta al TNF. Reprime directamente la transcripción mediante la fosforilación de Ser-1 de la histona H2A. Fosforila la Ser-10 de la histona H3 en respuesta a la mitogénesis, los estímulos de estrés y el factor de crecimiento epidémico (EGF), lo que resulta en la activación transcripcional de varios genes tempranos inmediatos, incluyendo los protooncogenes c-fos/FOS y c-jun/JUN. También puede fosforilar la Ser-28 de la histona H3. Media la fosforilación inducida por mitógenos y estrés de la proteína del grupo de alta movilidad 14 (HMG-14). Varios: La actividad enzimática requiere la presencia de ambos dominios quinasa. PTM: La fosforilación de Ser-376 y Thr-581 es necesaria para la actividad quinasa. Ser-376 y Ser-212 son autofosforiladas por el dominio quinasa C-terminal, y su fosforilación es esencial para la actividad catalítica del dominio quinasa N-terminal. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia de quinasas S6. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de AGC-quinasa. Similitud: Contiene dos dominios de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Predominantemente nuclear. Parcialmente citoplasmática. Subunidad: Forma un complejo con ERK1 o ERK2 en células quiescentes, que se disocia transitoriamente tras estimulación mitogénica. También se asocia con MAPK14/p38-alfa. La RPS6KA5 activada se asocia con la subunidad RELA de p65 del NF-kappa-B y la fosforila. Especificidad tisular: Ampliamente expresada con altos niveles en corazón, cerebro y placenta. Menos abundante en pulmón, riñón e hígado.

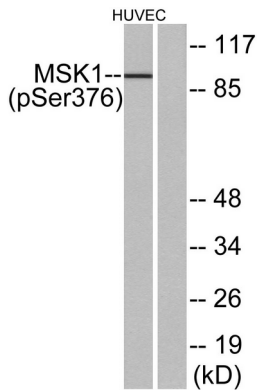
Actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Parece activarse mediante múltiples fosforilaciones en residuos de treonina y serina. ERK1/2 y MAPK14/p38-alfa podrían participar en este proceso. Función: Serina/treonina quinasa, necesaria para la fosforilación inducida por mitógenos o estrés de los factores de transcripción CREB (proteína de unión al elemento de respuesta a AMPc) y ATF1 (factor de transcripción activador 1). Rol esencial en el control de la actividad transcripcional de RELA en respuesta al TNF. Reprime directamente la transcripción mediante la fosforilación de Ser-1 de la histona H2A. Fosforila Ser-10 de la histona H3 en respuesta a la mitogénesis, los estímulos de estrés y el factor de crecimiento epidémico (EGF), lo que resulta en la activación transcripcional de varios genes tempranos inmediatos, incluyendo los protooncogenes c-fos/FOS y c-jun/JUN. También puede fosforilar Ser-28 de la histona H3. Media la fosforilación inducida por mitógenos y estrés de la proteína 14 del grupo de alta movilidad (HMG-14). Información adicional: La actividad enzimática requiere la presencia de ambos dominios quinasa. PTM: La fosforilación de Ser-376 y Thr-581 es necesaria para la actividad quinasa. Ser-376 y Ser-212 son autofosforiladas por el dominio quinasa C-terminal, y su fosforilación es esencial para la actividad catalítica del dominio quinasa N-terminal. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia de las quinasas S6. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la proteína quinasa AGC. Similitud: Contiene dos dominios quinasa. Ubicación subcelular: Predominantemente nuclear. Subunidad parcialmente citoplasmática: Forma un complejo con ERK1 o ERK2 en células quiescentes, que se disocia transitoriamente tras la estimulación mitogénica. También se asocia con MAPK14/p38-alfa. La RPS6KA5 activada se asocia con la subunidad RELA p65 del NF-kappa-B y la fosforila. Especificidad tisular: Se expresa ampliamente, con altos niveles, en corazón, cerebro y

placenta. Es menos abundante en pulmón, riñón e hígado.

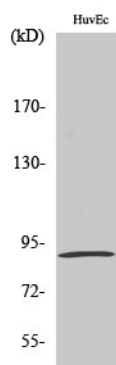
Área de Investigación

Receptor de insulina; Regula la angiogénesis; Crecimiento MAPK_ERK; Proteína MAPK_G; Receptor de células B; AMPK

Datos de Imagen



Análisis de Western blot de lisados de células HUVEC tratadas con PMA 125 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo MSK1 (Phospho-Ser376). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Phospho-MSK1 (S376) diluido a 1:1000