

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MRE11 (fosfoSer264)**Nº de Catálogo: APRab05037**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ELISA 1:2000-1:20000
Peso Molecular	80kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MRE11A MRE11A; HNGS1; MRE11; Double-strand break repair protein MRE11A; Meiotic recombination 11 homolog 1; MRE11 homolog 1; Meiotic recombination 11 homolog A;
Nombres Alternativos	MRE11 homolog A
ID del Gen	4361.0
ID SwissProt	P49959
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del MRE11 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser264. Rango de AA: 230-279.

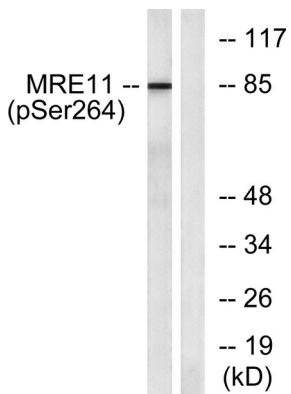
Antecedentes

Este gen codifica una proteína nuclear involucrada en la recombinación homóloga, el mantenimiento de la longitud de los telómeros y la reparación de roturas de doble cadena de ADN. Por sí sola, la proteína posee actividad exonucleasa 3' a 5' y actividad endonucleasa. La proteína forma un complejo con el homólogo RAD50; este complejo es necesario para la unión no homóloga de extremos de ADN y posee mayor actividad endonucleasa de ADN monocatenario y actividad exonucleasa 3' a 5'. Junto con una ADN ligasa, esta proteína promueve la unión de extremos no complementarios in vitro utilizando homologías cortas cerca de los extremos de los fragmentos de ADN. Este gen tiene un pseudogén en el cromosoma 3. El empalme alternativo de este gen resulta en dos variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], cofactor: Manganeso., enfermedad: Los defectos en MRE11A son causa del trastorno similar a la ataxia telangiectasia (ATLD) [MIM:604391]. La ATLD es una enfermedad con las mismas características clínicas que la ataxia telangiectasia, pero con una evolución algo más leve., enfermedad: Los defectos en MRE11A pueden ser causa de cáncer de mama., función: Componente del complejo MRN, que desempeña un papel fundamental en la reparación de roturas de doble cadena (DSB), la recombinación del ADN, el mantenimiento de la integridad de los telómeros y la meiosis. El complejo posee actividad endonucleasa monocatenaria y actividad exonucleasa 3'-5' específica de doble cadena, proporcionadas por MRE11A. RAD50 puede ser necesario para unir los extremos del ADN y mantenerlos en estrecha proximidad. Esto podría facilitar la búsqueda de regiones cortas o largas de homología de secuencia en las plantillas de ADN recombinante, y también podría estimular la actividad de las ligasas de ADN o restringir la actividad nucleasa de MRE11A para prevenir la degradación nucleolítica más allá de un punto determinado. El complejo también podría ser necesario para la señalización del daño al ADN mediante la activación de la quinasa ATM. En los telómeros, el complejo MRN puede modular la formación de bucles T. Información adicional: En caso de infección por adenovirus E4, el complejo MRN se inactiva y degrada por las oncoproteínas virales, lo que impide la concatenación de genomas virales en las células infectadas. Información en línea: Base de datos de la mutación MRE11A. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia MRE11/RAD32. Ubicación subcelular: Se localiza en focos nucleares discretos tras el tratamiento con agentes genotóxicos. Subunidad: Componente del complejo MRN compuesto por dos heterodímeros RAD50/MRE11A asociados a un único NBN. Componente del complejo BASC, compuesto al menos por BRCA1, MSH2, MSH6, MLH1, ATM, BLM, RAD50, MRE11A y NBN (por similitud). Interactúa con DCLRE1C/Artemis,.

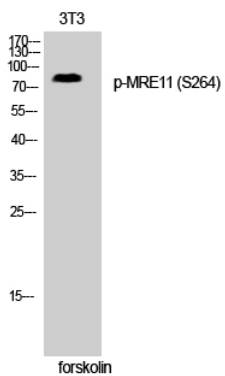
Área de Investigación

Recombinación homóloga; Unión de extremos no homólogos;

Datos de Imagen



Análisis de Western blot de lisados de células NIH/3T3 tratadas con forskolina 40 nM 30', utilizando el anticuerpo MRE11 (Phospho-Ser264). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.



Análisis Western Blot de células 3T3 usando el anticuerpo policlonal Phospho-MRE11 (S264).