

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Max (fosfo Ser2)**Nº de Catálogo: APRab04979**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MAX
Nombres Alternativos	MAX; BHLHD4; Protein max; Class D basic helix-loop-helix protein 4; bHLHd4; Myc-associated factor X
ID del Gen	4149.0
ID SwissProt	P61244
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de MAX humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser2. Rango de AA: 1-50

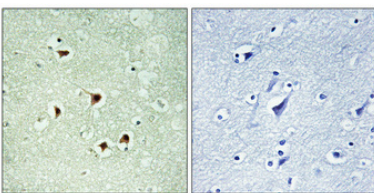
Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de factores de transcripción de cremallera de leucina hélice-bucle-hélice básica (bHLHZ). Es capaz de formar homodímeros y heterodímeros con otros miembros de la familia, como Mad, Mxi1 y Myc. Myc es una oncoproteína implicada en la proliferación, diferenciación y apoptosis celular. Los homodímeros y heterodímeros compiten por un sitio diana común en el ADN (la caja E) y la reorganización entre estas formas diméricas proporciona un complejo sistema de regulación transcripcional. Se ha descrito que las mutaciones de este gen se asocian con el feocromocitoma hereditario. Un pseudogén de este gen se encuentra en el brazo largo del cromosoma 7. El empalme alternativo produce múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2012], productos alternativos: Parecen existir isoformas adicionales, precaución: La secuencia que se muestra aquí se deriva de un proceso de análisis automático de Ensembl y debe considerarse como datos preliminares. Función: Regulador de la transcripción. Forma un complejo proteico de unión al ADN específico de secuencia con MYC o MAD, que reconoce la secuencia central 5'-CAC[GA]TG-3'. El complejo MYC-MAX es un activador transcripcional, mientras que el complejo MAD-MAX es un represor. Puede reprimir la transcripción mediante el reclutamiento de un complejo de remodelación de la cromatina con actividad de la histona metiltransferasa H3-K9. PTM: La acetilación reversible de la lisina podría regular el transporte núcleo-citoplasmático de complejos Max específicos. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Subunidad: Una unión eficiente al ADN requiere la dimerización con otra proteína bHLH. Se une al ADN como heterodímero con MYC o MAD. Parte del complejo E2F6.com-1 en fase G0, compuesto por E2F6, MGA, MAX, TFDP1, CBX3, BAT8, EUHMTASE1, RING1, RNF2, MBLR, L3MBTL2 y YAF2. Interactúa con SPAG9. Especificidad tisular: Se encuentran niveles elevados en el cerebro, el corazón y los pulmones, mientras que se observan niveles más bajos en el hígado, el riñón y el músculo esquelético.

Área de Investigación

MAPK_ERK_Crecimiento;MAPK_G_Proteína;Vías en el cáncer;Cáncer de pulmón de células pequeñas;

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.