

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MAD1 (fosfo Ser428)**Nº de Catálogo: APRab04966**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MAD1L1 MAD1L1; MAD1; TXBP181; Mitotic spindle assembly checkpoint protein MAD1; Mitotic
Nombres Alternativos	arrest deficient 1-like protein 1; MAD1-like protein 1; Mitotic checkpoint MAD1 protein homolog; HsMAD1; hMAD1; Tax-binding protein 181
ID del Gen	8379.0
ID SwissProt	Q9Y6D9
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de MAD1 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser428. Rango de AA: 394-443.

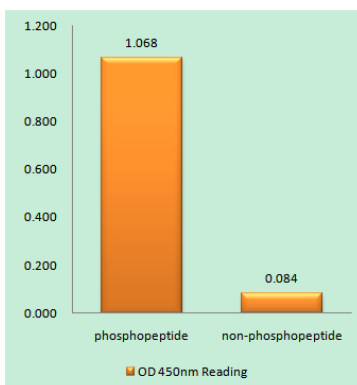
Antecedentes

MAD1L1 es un componente del punto de control del ensamblaje del huso mitótico que previene el inicio de la anafase hasta que todos los cromosomas estén correctamente alineados en la placa metafásica. MAD1L1 funciona como un homodímero e interactúa con MAD2L1. MAD1L1 puede desempeñar un papel en el control del ciclo celular y la supresión tumoral. El empalme alternativo resulta en múltiples variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, enero de 2015], enfermedad: Los defectos en MAD1L1 están involucrados en el desarrollo y/o progresión de varios tipos de cáncer., función: Componente del punto de control del ensamblaje del huso que previene el inicio de la anafase hasta que todos los cromosomas estén correctamente alineados en la placa metafásica. Puede reclutar MAD2L1 a cinetocoros no unidos. Participa en la correcta posición del septo. Necesario para anclar MAD2L1 a la periferia nuclear., inducción: Aumentado por TP53., PTM: Fosforilado por BUB1. Se hiperfosforila entre las fases S y M tardías o tras daño en el huso mitótico. Se fosforila tras daño en el ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia MAD1. Ubicación subcelular: Desde el inicio hasta el final de la mitosis, se observa su desplazamiento desde una distribución nuclear difusa hacia el centrosoma, la zona media del huso y, finalmente, el cuerpo medio. Subunidad: Homodímero. Heterodimeriza con MAD2L1 para formar un complejo central tetramérico MAD1L1-MAD2L1. La alteración de la estructura original MAD1L1-MAD2L1 por el punto de control del huso puede disminuir la afinidad de MAD2L1 por MAD1L1. CDC20 puede competir con MAD1L1 por la unión a MAD2L1, hasta que la unión o la tensión atenúan la señal del punto de control, impidiendo la liberación de MAD2L1 hacia CDC20. También puede interactuar con el complejo BUB1/BUB3 y la proteína viral Tax. Interactúa con TPR, especificidad tisular: se expresa débilmente en G0/G1 y en gran medida en las fases S tardías y G2/M.

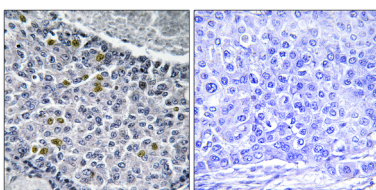
Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN;

Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo MAD1 (fosfo-Ser428)



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MAD1 (Phospho-Ser428). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.

