

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Lck (fosfo Tyr192)**Nº de Catálogo: APRab04944**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	56kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	LCK LCK; Tyrosine-protein kinase Lck; Leukocyte C-terminal Src kinase; LSK; Lymphocyte cell-specific protein-tyrosine kinase; Protein YT16; Proto-oncogene Lck; T cell-specific protein-tyrosine kinase; p56-LCK
Nombres Alternativos	
ID del Gen	3932.0
ID SwissProt	P06239
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de Lck humana alrededor del sitio de fosforilación de Tyr192. Rango de AA: 161-210.

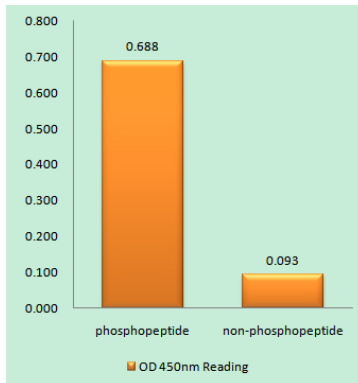
Antecedentes

Este gen pertenece a la familia Src de las proteínas tirosina quinasas (PTK). La proteína que codifica es una molécula de señalización clave en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo. Contiene sitios N-terminales para miristilación y palmitilación, un dominio PTK y los dominios SH2 y SH3, que median las interacciones proteína-proteína con motivos que contienen fosfotirosina y ricos en prolina, respectivamente. La proteína se localiza en la membrana plasmática y las vesículas pericentrosomales, y se une a receptores de la superficie celular, como CD4 y CD8, y a otras moléculas de señalización. Se han descrito múltiples variantes con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2016], actividad catalítica: $ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina\ fosfato.$, enfermedad: Se observa una aberración cromosómica que afecta a LCK en las leucemias. Translocación t(1;7)(p34;q34) con TCRB., dominio: El dominio SH2 media la interacción con SQSTM1. La interacción está regulada por la fosforilación de Ser-59., regulación enzimática: Inhibida por la fosforilación de tirosina., función: Tirosina quinasa que desempeña un papel esencial en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo en el timo y en la función de los linfocitos T maduros. Se asocia constitutivamente con las porciones citoplasmáticas de los receptores de superficie CD4 y CD8 y desempeña un papel clave en las vías de transducción de señales vinculadas al receptor de antígeno de linfocitos T (TCR). La asociación del TCR con un complejo MHC unido a un antígeno peptídico facilita la interacción de CD4 y CD8 con moléculas MHC de clase II y clase I, respectivamente, y, por lo tanto, recluta la LCK asociada a la vecindad del complejo TCR/CD3. LCK luego fosforila residuos de tirosinas dentro de los motivos de activación basados en tirosinas del inmunorreceptor (ITAM) en las colas citoplasmáticas de las cadenas TCRgamma y las subunidades CD3, iniciando la vía de señalización TCR/CD3. Además, contribuye a la señalización por otras moléculas receptoras. Se asocia directamente con la cola citoplasmática de CD2, y al unirse a la molécula CD2, LCK experimenta hiperfosforilación y activación. También desempeña un papel en la vía de señalización vinculada al receptor IL2 que controla la respuesta proliferativa de las células T. La unión de IL2 a su receptor resulta en un aumento de la actividad de LCK. Se expresa en todas las etapas del desarrollo del timocitos y es necesario para la regulación de los eventos de maduración que son gobernados tanto por el pre-TCR como por el TCR alfa beta maduro., espectrometría de masas: PubMed:11840567, información en línea: entrada Lck, PTM: fosforilada en Tyr-394, lo que aumenta la actividad enzimática (por similitud). fosforilada en Tyr-505, lo que disminuye la actividad., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Tyr. Subfamilia SRC., similitud: contiene 1 dominio de proteína quinasa., similitud: contiene 1 dominio SH2., similitud: contiene 1 dominio SH3., ubicación subcelular: presente en las balsas lipídicas en una forma inactiva., subunidad: se une al dominio citoplasmático de los receptores de la superficie celular, como CD2, CD4, CD5, CD8, CD44, CD45 y CD122. También se une a moléculas efectoras como PI4K, VAV1, RASA1, FYB y a otras proteínas quinasas, como CDC2, RAF1, ZAP70 y SYK. Se une a la fosfatidilinositol 3'-quinasa (PI3K) de los linfocitos T a través de su dominio SH3 y a la forma tirosina fosforilada de KHDRBS1/p70 a través de su dominio SH2. Se une a la proteína Nef del VIH-1 a través de su dominio SH3. Esta interacción inhibe su actividad tirosina quinasa. Interactúa con SQSTM1. Interactúa con LIME1 fosforilada. Interactúa con CBLB y PTPRH. Especificidad tisular: Se expresa específicamente en células linfoides.

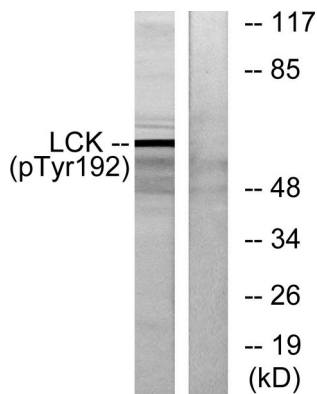
Área de Investigación

Citotoxicidad mediada por células asesinas naturales; Receptor de células T; Inmunodeficiencia primaria;

Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo Lck (Fosfo-Tyr192)



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo Lck (Phospho-Tyr192). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.