

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Lck (fosfo Ser540)****Nº de Catálogo: APRab04943**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	58kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	LCK LCK; Tyrosine-protein kinase Lck; Leukocyte C-terminal Src kinase; LSK; Lymphocyte cell-specific protein-tyrosine kinase; Protein YT16; Proto-oncogene Lck; T cell-specific protein-tyrosine kinase; p56-LCK
<b>Nombres Alternativos</b>	
<b>ID del Gen</b>	3932.0
<b>ID SwissProt</b>	P06239
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de LCK humana alrededor del sitio de fosforilación de Ser59. Rango de AA: 26-75.

## Antecedentes

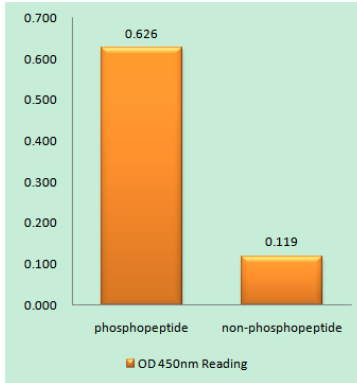
Este gen pertenece a la familia Src de las proteínas tirosina quinasas (PTK). La proteína que codifica es una molécula de señalización clave en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo. Contiene sitios N-terminales para miristilación y palmitilación, un dominio PTK y los dominios SH2 y SH3, que median las interacciones proteína-proteína con motivos que contienen fosfotirosina y ricos en prolina, respectivamente. La proteína se localiza en la membrana plasmática y las vesículas pericentrosomales, y se une a receptores de la superficie celular, como CD4 y CD8, y a otras moléculas de señalización. Se han descrito múltiples variantes con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2016], actividad catalítica:  $ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina\ fosfato.$ , enfermedad: Se observa una aberración cromosómica que afecta a LCK en las leucemias. Translocación t(1;7)(p34;q34) con TCRB., dominio: El dominio SH2 media la interacción con SQSTM1. La interacción está regulada por la fosforilación de Ser-59., regulación enzimática: Inhibida por la fosforilación de tirosina., función: Tirosina quinasa que desempeña un papel esencial en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo en el timo y en la función de los linfocitos T maduros. Se asocia constitutivamente con las porciones citoplasmáticas de los receptores de superficie CD4 y CD8 y desempeña un papel clave en las vías de transducción de señales vinculadas al receptor de antígeno de linfocitos T (TCR). La asociación del TCR con un complejo MHC unido a un antígeno peptídico facilita la interacción de CD4 y CD8 con moléculas MHC de clase II y clase I, respectivamente, y, por lo tanto, recluta la LCK asociada a la vecindad del complejo TCR/CD3. LCK luego fosforila residuos de tirosinas dentro de los motivos de activación basados en tirosinas del inmunorreceptor (ITAM) en las colas citoplasmáticas de las cadenas TCRgamma y las subunidades CD3, iniciando la vía de señalización TCR/CD3. Además, contribuye a la señalización por otras moléculas receptoras. Se asocia directamente con la cola citoplasmática de CD2, y al unirse a la molécula CD2, LCK experimenta hiperfosforilación y activación. También desempeña un papel en la vía de señalización vinculada al receptor IL2 que controla la respuesta proliferativa de las células T. La unión de IL2 a su receptor resulta en un aumento de la actividad de LCK. Se expresa en todas las etapas del desarrollo del timocitos y es necesario para la regulación de los eventos de maduración que son gobernados tanto por el pre-TCR como por el TCR alfa beta maduro., espectrometría de masas: PubMed:11840567, información en línea: entrada Lck, PTM: fosforilada en Tyr-394, lo que aumenta la actividad enzimática (por similitud). fosforilada en Tyr-505, lo que disminuye la actividad., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Tyr. Subfamilia SRC., similitud: contiene 1 dominio de proteína quinasa., similitud: contiene 1 dominio SH2., similitud: contiene 1 dominio SH3., ubicación subcelular: presente en las balsas lipídicas en una forma inactiva., subunidad: se une al dominio citoplasmático de los receptores de la superficie celular, como CD2, CD4, CD5, CD8, CD44, CD45 y CD122. También se une a moléculas efectoras como PI4K, VAV1, RASA1, FYB y a otras proteínas quinasas, como CDC2, RAF1, ZAP70 y SYK. Se une a la fosfatidilinositol 3'-quinasa (PI3K) de los linfocitos T a través de su dominio SH3 y a la forma tirosina fosforilada de KHDRBS1/p70 a través de su dominio SH2. Se une a la proteína Nef del VIH-1 a través de su dominio SH3. Esta interacción inhibe su actividad tirosina quinasa. Interactúa con SQSTM1. Interactúa con LIME1 fosforilada. Interactúa con CBLB y PTPRH. Especificidad tisular: Se expresa específicamente en células linfoides.

## Área de Investigación

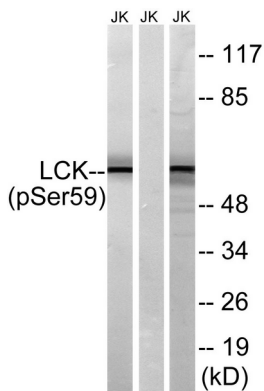
Citotoxicidad mediada por células asesinas naturales; Receptor de células T; Inmunodeficiencia primaria;

---

## Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo LCK (Fosfo-Ser59)



Análisis de Western blot de lisados de células Jurkat tratadas con IFN 2500 U/ML 30', utilizando el anticuerpo LCK (Phospho-Ser59). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.