

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo LATS1 (fosfo-Ser909)**Nº de Catálogo: APRab04940**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ELISA 1:2000-1:20000
Peso Molecular	140kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	LATS1 WARTS
Nombres Alternativos	Serine/threonine-protein kinase LATS1 (EC 2.7.11.1) (Large tumor suppressor homolog 1) (WARTS protein kinase) (h-warts)
ID del Gen	9113.0
ID SwissProt	O95835
Inmunógeno	Péptido fosfo sintetizado alrededor del LATS1/2 humano (Ser909)

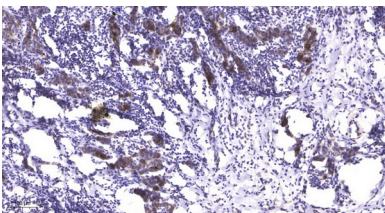
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es una supuesta serina/treonina quinasa que se localiza en el aparato mitótico y forma complejos con la quinasa CDC2, controladora del ciclo celular, durante la mitosis temprana. La proteína se fosforila de forma dependiente del ciclo celular, permaneciendo la fosforilación tardía en la profase durante la metafase. La región N-terminal de la proteína se une a CDC2 para formar un complejo que muestra una actividad reducida de la histona quinasa H1, lo que indica su función como regulador negativo de CDC2/ciclina A. Además, el dominio quinasa C-terminal se une a su propia región N-terminal, lo que sugiere una posible regulación negativa mediante la interferencia con la formación de complejos mediante la unión intramolecular. Los datos bioquímicos y genéticos sugieren su función como supresor tumoral. Esto está respaldado por estudios en ratones knock-out que muestran el desarrollo de sarcomas de tejidos blandos, tumores de células del estroma ovárico y una alta sensibilidad al tratamiento carcinogénico. Actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Función: Supresor tumoral que desempeña un papel crítico en el mantenimiento de la ploidía a través de sus acciones tanto en la progresión mitótica como en el punto de control de tetraploidía G1. Regula negativamente la transición G2/M al regular negativamente la actividad de la cinasa CDC2. Participa en el control de la expresión de p53. Afecta la citocinesis al regular la polimerización de actina mediante la modulación negativa de LIMK1. También puede desempeñar un papel en la función endocrina. PTM: Autofosforilado y fosforilado durante la fase M del ciclo celular. Fosforilado por STK3 en Ser-909 y Thr-1079, lo que resulta en su activación. Fosforilada tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la proteína quinasa AGC. Similitud: Contiene un dominio de la proteína quinasa. Similitud: Contiene un dominio UBA. Ubicación subcelular: Se localiza en los centrosomas durante la interfase, pero migra al aparato mitótico, incluyendo los cuerpos polares del huso, el huso mitótico y el cuerpo medio, durante la mitosis. Subunidad: Forma complejos con CDC2 al inicio de la mitosis. CDC2, asociada a LATS1, no tiene ciclina mitótica asociada ni actividad quinasa aparente. Se une a ZYX fosforilada, lo que localiza esta proteína en el huso mitótico y sugiere la función de las proteínas reguladoras de la actina durante la mitosis. Se une y se colocaliza con LIMK1 en el anillo contráctil de actomiosina durante la citocinesis. Especificidad tisular: Se expresa en todos los tejidos adultos examinados, excepto en pulmón y riñón.

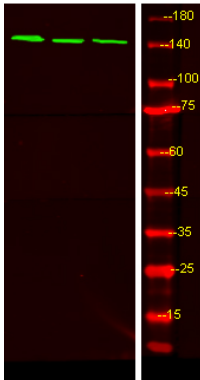
Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de cáncer de mama humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).



Análisis de Western Blot de HeLa tratada o no mediante lisis por LPS, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.