

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo IRS-1 (fosfoSer307)****Nº de Catálogo: APRab04876**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

|                       |  |
|-----------------------|--|
| <b>Descripción</b>    | Anticuerpo policlonal de conejo  |
| <b>Huésped</b>        | Conejo   |
| <b>Aplicación</b>     | WB,IHC,ICC/IF,ELISA  |
| <b>Reactividad</b>    | Humano, Ratón, Rata, Mono  |
| <b>Conjugación</b>    | No conjugado   |
| <b>Modificación</b>   | Fosforilado  |
| <b>Isotipo</b>        | IgG  |
| <b>Clonalidad</b>     | Policlonal   |
| <b>Formato</b>        | Líquido  |
| <b>Concentración</b>  | 1 mg/ml  |
| <b>Almacenamiento</b> | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.          |
| <b>Envío</b>          | Bolsas de hielo  |
| <b>Tampon</b>         | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| <b>Purificación</b>   | Purificación por afinidad  |

**Aplicación**

|                             |  |
|-----------------------------|--|
| <b>Relación de Dilución</b> | WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:10000 |
| <b>Peso Molecular</b>       | 170kDa   |

**Información del Antígeno**

|                             |   |
|-----------------------------|---|
| <b>Nombre del Gen</b>       | IRS1  |
| <b>Nombres Alternativos</b> | IRS1; Insulin receptor substrate 1; IRS-1   |
| <b>ID del Gen</b>           | 3667.0  |
| <b>ID SwissProt</b>         | P35568  |
| <b>Inmunógeno</b>           | Fosfopéptido sintetizado alrededor del sitio de fosforilación del IRS-1 humano (fosfo Ser307) |

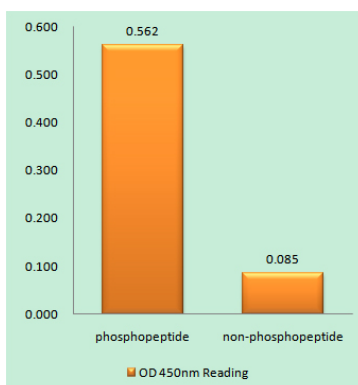
**Antecedentes**

Este gen codifica una proteína fosforilada por la tirosina quinasa del receptor de insulina. Las mutaciones en este gen se asocian con la diabetes tipo II y la susceptibilidad a la resistencia a la insulina. [Proporcionado por RefSeq, noviembre de 2009], Enfermedad: Los polimorfismos en IRS1 podrían estar involucrados en la etiología de la diabetes mellitus no insulino dependiente (DMNID) [MIM:125853]. Función: Puede mediar el control de diversos procesos celulares por la insulina. Al ser fosforilada por el receptor de insulina, se une específicamente a diversas proteínas celulares que contienen dominios SH2, como la subunidad p85 de la fosfatidilinositol 3-quinasa o GRB2. Activa la fosfatidilinositol 3-quinasa al unirse a la subunidad reguladora p85. Polimorfismo: El polimorfismo Arg-971 afecta la capacidad de la insulina para estimular el transporte de glucosa, la translocación del transportador de glucosa y la síntesis de glucógeno, al afectar la vía de señalización PI3K/AKT1/GSK3. El polimorfismo en Arg-971 podría contribuir a la resistencia a la insulina in vivo observada en portadores de esta variante. Arg-971 podría contribuir al riesgo de enfermedades cardiovasculares ateroscleróticas asociadas con la diabetes mellitus no insulino dependiente (DMNID) al producir un conjunto de anomalías metabólicas relacionadas con la resistencia a la insulina. En células endoteliales humanas estimuladas por insulina, portadoras del polimorfismo Arg-971, la alteración genética de la cascada de señalización de insulina IRS1/PI3K/PDPK1/AKT1 provoca una disminución de la liberación de óxido nítrico (NO) estimulada por insulina, lo que sugiere que este podría ser un mecanismo por el cual el polimorfismo Arg-971 contribuye a la predisposición genética a desarrollar disfunción endotelial y enfermedad cardiovascular. El polimorfismo Arg-971 no solo reduce la fosforilación del sustrato, sino que también permite que IRS1 actúe como inhibidor de PI3K, lo que produce resistencia global a la insulina. PTM: La fosforilación de Tyr-896 es necesaria para la unión a GRB2. PTM: La fosforilación de serina de IRS1 es un mecanismo de resistencia a la insulina. La fosforilación de Ser-312 inhibe la acción de la insulina al interrumpir la interacción de IRS1 con el receptor de insulina. Similitud: Contiene un dominio PTB de tipo IRS. Similitud: Contiene un dominio PH. Subunidad: Interactúa con el motivo NPXY de IGF1R e INSR fosforilados en tirosina a través del dominio PTB. Se une a la subunidad p85 de la fosfatidilinositol 3-quinasa a través de los motivos YXXM fosforilados. Se une a ROCK1. Se une a UBTF y PIK3CA en extractos nucleares (por similitud). Interactúa con SOCS7.

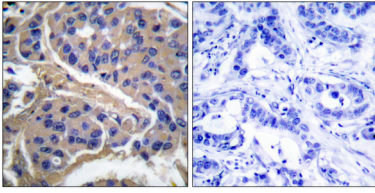
## Área de Investigación

Neurotrofina;Receptor de insulina;Adipocitocina;Diabetes mellitus tipo II;Reabsorción de sodio regulada por aldosterona;

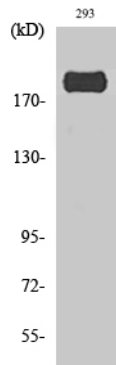
## Datos de Imagen



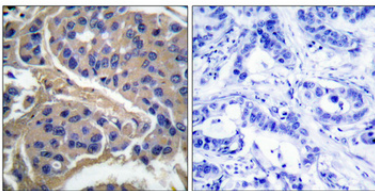
Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo IRS-1 (Fosfo-Ser307)



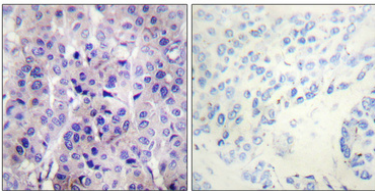
Análisis inmunohistoquímico de cáncer de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo IRS-1 (Fosfo-Ser307). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido IRS-1 (Fosfo-Ser307).



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Phospho-IRS-1 (S307) diluido a 1:1000



Análisis inmunohistoquímico de cáncer de mama humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.



Análisis inmunohistoquímico de cáncer de mama humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.