

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo IRF-7 (fosfo-Ser477)****Nº de Catálogo: APRab04872**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
<b>Peso Molecular</b>	55kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	IRF7
<b>Nombres Alternativos</b>	Interferon regulatory factor 7 (IRF-7)
<b>ID del Gen</b>	3665.0
<b>ID SwissProt</b>	Q92985
<b>Inmunógeno</b>	Péptido fosfo sintetizado alrededor del IRF-7 humano (Ser477)

**Antecedentes**

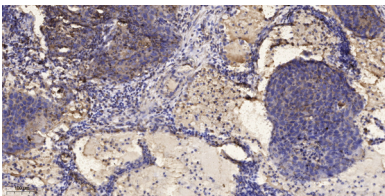
IRF7 codifica el factor regulador del interferón 7, miembro de la familia de factores de transcripción reguladores del interferón

(IRF). Se ha demostrado que IRF7 participa en la activación transcripcional de genes celulares inducibles por virus, incluidos los genes de la cadena beta del interferón. La expresión inducible de IRF7 se limita principalmente al tejido linfoide. Se han identificado múltiples variantes de transcripción de IRF7, aunque aún no se han establecido sus consecuencias funcionales. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], función: activador transcripcional. Se une al elemento de respuesta estimulada por interferón (ISRE) en los promotores de IFN y en el promotor Q (Qp) del antígeno nuclear 1 del virus de Epstein-Barr (EBNA1). Funciona como un interruptor molecular para la actividad antiviral. Se activa por fosforilación en respuesta a la infección. La activación conduce a la retención nuclear, la unión al ADN y la desrepresión de la capacidad de transactivación. Inducción: Por interferones tipo I. PTM: En respuesta a una infección viral, se fosforila en el grupo de serina C-terminal. La fosforilación y la subsiguiente activación son inhibidas por la proteína E3 del virus vaccinia. Similitud: Pertenece a la familia IRF. Similitud: Contiene un dominio de unión al ADN con una pentada repetida de triptófano. Ubicación subcelular: La forma fosforilada y activa se acumula selectivamente en el núcleo. Subunidad: Homodímero; inducido por fosforilación. Interactúa con TICAM1 y TICAM2. Interactúa con la NSP1 del rotavirus A; esta interacción conduce a la degradación de IRF7 dependiente del proteasoma. Interactúa con el virus de Epstein-Barr LF2. Especificidad tisular: Se expresa predominantemente en bazo, timo y leucocitos de sangre periférica.

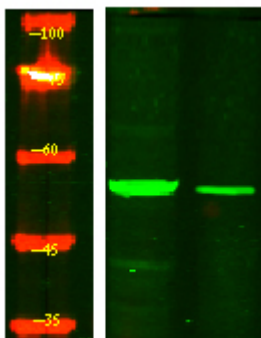
## Área de Investigación

Toll\_Like;Receptor tipo RIG-I;Vía de detección de ADN citosólico;

## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de células escamosas de pulmón humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4<sup>o</sup> durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).



Análisis de Western Blot de Hela tratada o no mediante lisis por LPS, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.