

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Dok-1 (fosfo Tyr362)**Nº de Catálogo:** APRab04556

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	55kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	DOK1
Nombres Alternativos	DOK1; Docking protein 1; Downstream of tyrosine kinase 1; p62(dok); pp62
ID del Gen	1796.0
ID SwissProt	Q99704
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de p62 Dok humano alrededor del sitio de fosforilación de Tyr362. Rango de AA: 329-378.

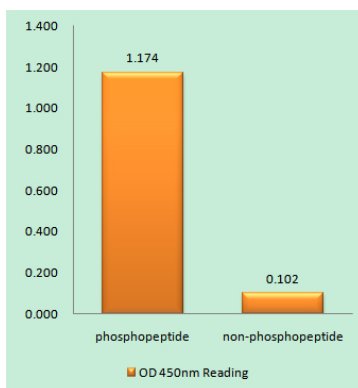
Antecedentes

proteína de acoplamiento 1 (DOK1) Homo sapiens La proteína codificada por este gen forma parte de una vía de transducción de señales aguas abajo de las tirosina quinasas receptoras. La proteína codificada es una proteína de andamiaje que ayuda a formar una plataforma para el ensamblaje de complejos de señalización multiproteica. Se han encontrado varias variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas para este gen. [proporcionado por RefSeq, enero de 2016], dominio: El dominio PTB media la interacción del receptor., función: Las proteínas DOK son proteínas adaptadoras o de andamiaje enzimáticamente inertes. Proporcionan una plataforma de acoplamiento para el ensamblaje de complejos de señalización multimolecular. DOK1 parece ser un regulador negativo de la vía de señalización de la insulina. Modula la activación de la integrina al competir con la talina por el mismo sitio de unión en ITGB3., PTM: Constitutivamente fosforilada en tirosina., PTM: Fosforilada en residuos de tirosina por la quinasa del receptor de insulina. Produce la regulación negativa de la vía de señalización de la insulina. Similitud: Pertenece a la familia DOK. Subfamilia tipo A. Similitud: Contiene un dominio PTB de tipo IRS. Similitud: Contiene un dominio PH. Subunidad: Interactúa con ABL (por similitud). Interactúa con RasGAP e INPP5D/SHIP1. Interactúa directamente con ITGB3 fosforilado. Especificidad tisular: Se expresa en páncreas, corazón, leucocitos y bazo. Se expresa en linfocitos T de sangre periférica tanto en reposo como activados.

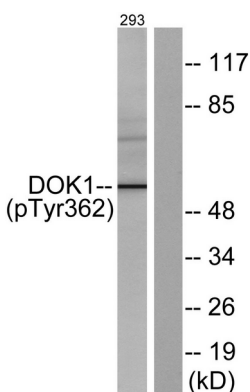
Área de Investigación

Antígeno de células B

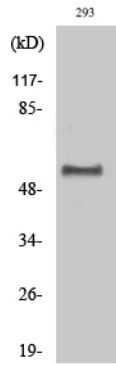
Datos de Imagen



Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo p62 Dok (fosfo-Tyr362)



Análisis de inmunotransferencia de lisados de 293 células, utilizando el anticuerpo p62 Dok (Phospho-Tyr362). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosfo.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Phospho-Dok-1 (Y362)