

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo DNA-PKCS (fosfoSer2612)**Nº de Catálogo: APRab04553**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	PRKDC
Nombres Alternativos	PRKDC; HYRC; HYRC1; DNA-dependent protein kinase catalytic subunit; DNA-PK catalytic subunit; DNA-PKcs; DNPK1; p460
ID del Gen	5591.0
ID SwissProt	P78527
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la DNA-PK humana alrededor del sitio de fosforilación de Ser2612. Rango de AA: 2578-2627.

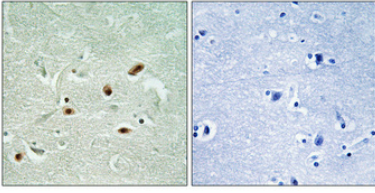
Antecedentes

Este gen codifica la subunidad catalítica de la proteína quinasa dependiente de ADN (DNA-PK). Actúa junto con la proteína heterodímera Ku70/Ku80 en la reparación y recombinación de roturas de doble cadena del ADN. La proteína codificada pertenece a la familia de las quinasas PI3/PI4. [Proporcionado por RefSeq, julio de 2010], actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Regulación enzimática: Inhibida por la wortmanina. La actividad de la enzima parece atenuarse por la autofosforilación. Función: Serina/treonina-proteína quinasa que actúa como sensor molecular del daño al ADN. Participa en la unión de extremos no homólogos (NHEJ) del ADN, necesaria para la reparación de roturas de doble cadena (DSB) y la recombinación V(D)J. Debe estar unida al ADN para expresar sus propiedades catalíticas. Promueve el procesamiento de las estructuras de ADN en horquilla en la recombinación V(D)J mediante la activación de la endonucleasa de horquilla artemis (DCLRE1C). El ensamblaje del complejo ADN-PK en los extremos del ADN también es necesario para el paso de ligación NHEJ. Necesario para proteger y alinear los extremos rotos del ADN. También puede actuar como proteína de andamiaje para facilitar la localización de las proteínas reparadoras del ADN en el sitio del daño. Se encuentra en los extremos de los cromosomas, lo que sugiere un papel adicional en el mantenimiento de la estabilidad telomérica y la prevención de la fusión de extremos cromosómicos. También participa en la modulación de la transcripción. Reconoce la secuencia consenso del sustrato [ST]-Q. Fosforila 'Ser-139' de la variante de histona H2AX/H2AFX, regulando así el mecanismo de respuesta al daño del ADN. Fosforila DCLRE1C, c-Abl/ABL1, histona H1, HSPCA, c-jun/JUN, p53/TP53, PARP1, POU2F1, DHX9, SRF, XRCC1, XRCC1, XRCC4, XRCC5, XRCC6, WRN, c-myc/MYC y RFA2. Puede fosforilar C1D no solo en presencia de ADN lineal, sino también en presencia de ADN superenrollado. La capacidad de fosforilar TP53/p53 en presencia de ADN superenrollado depende de C1D. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Se autofosforila en Thr-2609, Thr-2638 y Thr-2647. Thr-2609 es un sitio de fosforilación inducible por daño del ADN (inducible con radiación ionizante, IR). La autofosforilación induce un cambio conformacional que conduce a la remodelación del complejo DNA-PK, requisito para el procesamiento final eficiente y la reparación del ADN. Similitud: Pertenece a la familia de las quinasas PI3/PI4. Similitud: Contiene un dominio FAT. Similitud: Contiene un dominio FATC. Similitud: Contiene un dominio PI3K/PI4K. Similitud: Contiene dos repeticiones HEAT. Similitud: Contiene tres repeticiones TPR. Subunidad: DNA-PK es un heterotrímero de PRKDC y el dímero Ku p70-p86 (XRCC6-XRCC5). La formación de este complejo puede ser promovida por la interacción con ILF3. Se asocia con el heterodímero Ku unido al ADN, pero también puede unirse al ADN libre y ser activado por este. Interactúa con la proteína interactora con DNA-PKcs (KIP) en la región anterior al dominio quinasa. La PRKDC por sí sola también interactúa con DCLRE1C y lo fosforila, activando así la actividad endonucleasa latente de esta proteína. Interactúa con C1D.

Área de Investigación

Unión de extremos no homólogos;Ciclo celular_G1S;Ciclo celular_G2M_ADN;

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.