

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CSN1 (fosfo Ser454)****Nº de Catálogo: APRab04509**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	IHC, ICC/IF, ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Fosforilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
<b>Peso Molecular</b>	-

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	GPS1 GPS1; COPS1; CSN1; COP9 signalosome complex subunit 1; SGN1; Signalosome subunit
<b>Nombres Alternativos</b>	1; G protein pathway suppressor 1; GPS-1; JAB1-containing signalosome subunit 1; Protein MFH
<b>ID del Gen</b>	2873.0
<b>ID SwissProt</b>	Q13098
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de COPS1 humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser454. Rango de AA: 420-469.

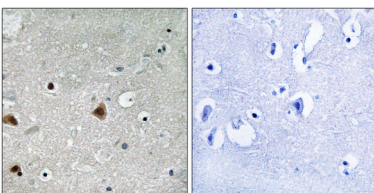
## Antecedentes

Se sabe que este gen suprime la transducción de señales activada por proteína G y mitógenos en células de mamíferos. La proteína codificada comparte una similitud significativa con FUS6 de Arabidopsis, regulador de la transducción de señales mediada por luz en células vegetales. [Proporcionado por RefSeq, marzo de 2016], dominio: La porción N-terminal (1-216), que no es necesaria para la actividad desnedilante ni para la formación del complejo CSN, es sin embargo esencial para otros aspectos de la función del complejo CSN, como la represión de la expresión de c-fos/FOS., dominio: El dominio PCI es necesario y suficiente para las interacciones con otras subunidades CSN del complejo. Media la interacción con CAPN8., función: Componente esencial del complejo señalosoma COP9 (CSN), un complejo que participa en diversos procesos celulares y de desarrollo. El complejo CSN es un regulador esencial de la vía de conjugación de la ubiquitina (Ubl), ya que media la desnedilación de las subunidades de culina de los complejos de la ligasa E3 de tipo SCF, lo que disminuye la actividad de la ligasa Ubl en complejos de tipo SCF como SCF, CSA o DDB2. El complejo también participa en la fosforilación de p53/TP53, c-jun/JUN, IkappaBalpha/NFKBIA, ITPK1 e IRF8/ICSBP, posiblemente a través de su asociación con las quinasas CK2 y PKD. La fosforilación de TP53 y JUN, dependiente de CSN, promueve y protege la degradación por el sistema Ubl, respectivamente. Suprime la transducción de señales mediada por la proteína quinasa activada por mitógenos y la proteína G. PTM: Se fosforila tras daño al ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia CSN1. Similitud: Contiene un dominio PCI. Subunidad: Componente del complejo CSN, compuesto por COPS1/GPS1, COPS2, COPS3, COPS4, COPS5, COP6, COPS7 (COPS7A o COPS7B) y COPS8. En el complejo, probablemente interactúa directamente con COPS2, COPS3, COPS4 y CSN5. Interactúa directamente con la inositol quinasa ITPK1. Interactúa con CAPN8. Especificidad tisular: Ampliamente expresado.

## Área de Investigación

-

## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo COPS1 (Phospho-Ser454). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.