

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ACK (fosfo Tyr284)**Nº de Catálogo: APRab04201**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	120kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	TNK2
Nombres Alternativos	TNK2; ACK1; Activated CDC42 kinase 1; ACK-1; Tyrosine kinase non-receptor protein 2
ID del Gen	10188.0
ID SwissProt	Q07912
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de ACK1 humano alrededor del sitio de fosforilación de Tyr284. Rango de AA: 250-299.

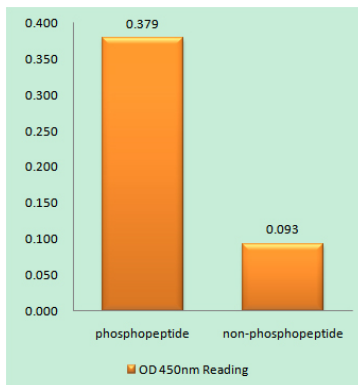
Antecedentes

Este gen codifica una tirosina quinasa que se une a Cdc42Hs en su forma unida a GTP e inhibe la actividad GTPasa intrínseca y la actividad GTPasa estimulada por la proteína activadora de GTPasa (GAP) de Cdc42Hs. Esta unión está mediada por una secuencia única de 47 aminoácidos en el extremo C-terminal de un dominio SH3. La proteína podría estar involucrada en un mecanismo regulador que sustenta la forma activa de Cdc42Hs unida a GTP y que está directamente relacionada con una vía de transducción de señales de fosforilación de tirosina. Se han identificado varias variantes de transcripción con empalme alternativo de este gen, pero solo se ha determinado la naturaleza completa de dos variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina fosfato., cofactor: magnesio., regulación enzimática: el dominio SH3 parece desempeñar una función autoinhibitoria., función: efector dependiente de CDC42 que media la migración celular dependiente de CDC42 mediante la fosforilación de BCAR1. Se une a la poliubiquitina y la monoubiquitina y regula la degradación del EGFR inducida por ligando. Participa en la endocitosis mediada por clatrina. Podría estar involucrado tanto en la función y plasticidad sináptica adulta como en el desarrollo cerebral., precaución de secuencia: isoforma improbable. Sitios de empalme aberrantes., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteína quinasa. Familia de la proteína quinasa Tyr. Similitud: Contiene un dominio CRIB. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Similitud: Contiene un dominio SH3. Subunidad: Interactúa con CDC42. Interactúa con CSPG4 activado.

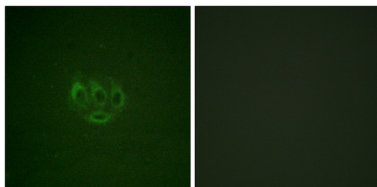
Área de Investigación

-

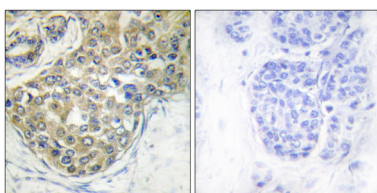
Datos de Imagen



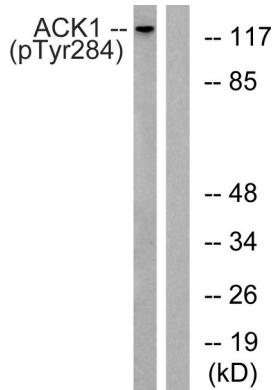
Ensayo inmunoabsorbente ligado a enzimas (Fosfo-ELISA) para inmunógeno fosfopéptido (Fosfo-izquierdo) y no fosfopéptido (Fosfo-derecho), utilizando el anticuerpo ACK1 (Fosfo-Tyr284)



Análisis de inmunofluorescencia de células A549 con el anticuerpo ACK1 (Phospho-Tyr284). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosforilado.



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo ACK1 (Phospho-Tyr284). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.



Análisis de Western blot de lisados de células HepG2 tratadas con EGF 200 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo ACK1 (Phospho-Tyr284). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosforilado.