

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ACAP1 (fosfoSer554)**Nº de Catálogo: APRab04198**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:40000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ACAP1
Nombres Alternativos	ACAP1; CENTB1; KIAA0050; Arf-GAP with coiled-coil; ANK repeat and PH domain-containing protein 1; Centaurin-beta-1; Cnt-b1
ID del Gen	9744.0
ID SwissProt	Q15027
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la centaurina-beta1 humana alrededor del sitio de fosforilación de Ser554. Rango de AA: 520-569.

Antecedentes

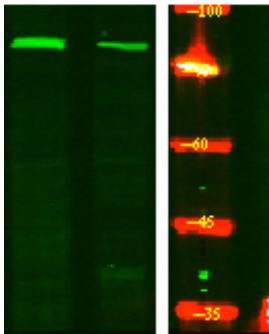
Dominio: El dominio PH se une a fosfolípidos, incluyendo ácido fosfatídico, fosfatidilinositol 3-fosfato, fosfatidilinositol 3,5-bisfosfato (PIP2) y fosfatidilinositol 3,4,5-trifosfato (PIP3). Puede mediar la unión de ACAP1 a membranas que contienen PIP2 o PIP3. **Regulación enzimática:** La actividad de GAP es estimulada por el fosfatidilinositol 4,5-bisfosfato (PIP2) y el ácido fosfatídico. **Función:** La proteína activadora de la GTPasa (GAP) para el factor 6 de ribosilación de ADP (ARF6), necesaria para la exportación de proteínas dependiente de clatrina desde los endosomas de reciclaje a la red trans-Golgi y la superficie celular. **Información adicional:** Las células que sobreexpresan ACAP1 muestran una acumulación de ITGB1 en los endosomas de reciclaje e inhibición de la migración celular dependiente de la estimulación. Las células con niveles reducidos de ACAP1 o AKT1 y AKT2 muestran inhibición de la migración celular dependiente de la estimulación. Las células que sobreexpresan ACAP1 y PIP5K1C muestran la formación de estructuras tubulares derivadas de las membranas endosómicas. **PTM:** La fosforilación en Ser-554 por PKB es necesaria para la interacción con ITGB1, la exportación de ITGB1 desde los endosomas de reciclaje a la superficie celular y la migración celular dependiente de ITGB1. **Similitud:** Contiene un dominio Arf-GAP. **Similitud:** Contiene un dominio BAR. **Similitud:** Contiene un dominio PH. **Similitud:** Contiene 3 repeticiones ANK. **Subunidad:** Interactúa con ARF6 unido a GTP. Interactúa con el tercer bucle citoplasmático de SLC2A4/GLUT4. Interactúa con CLTC. Interactúa con GULP1. Forma un complejo con ARF6 y GULP1 unidos a GDP. **Especificidad tisular:** El nivel más alto se encuentra en pulmón y bazo. Nivel bajo en corazón, riñón, hígado y páncreas.

Dominio: El dominio PH se une a los fosfolípidos, incluidos el ácido fosfatídico, el fosfatidilinositol 3-fosfato, el fosfatidilinositol 3,5-bisfosfato (PIP2) y el fosfatidilinositol 3,4,5-trifosfato (PIP3). Puede mediar la unión de ACAP1 a membranas que contienen PIP2 o PIP3. **Regulación enzimática:** La actividad de GAP se estimula con fosfatidilinositol 4,5-bisfosfato (PIP2) y ácido fosfatídico. **Función:** La proteína activadora de la GTPasa (GAP) para el factor de ribosilación de ADP 6 (ARF6), necesaria para la exportación de proteínas dependiente de clatrina desde los endosomas de reciclaje hasta la red trans-Golgi y la superficie celular. **Información adicional:** Las células que sobreexpresan ACAP1 muestran una acumulación de ITGB1 en los endosomas de reciclaje e inhibición de la migración celular dependiente de la estimulación. Las células con niveles reducidos de ACAP1 o AKT1 y AKT2 muestran inhibición de la migración celular dependiente de la estimulación. Las células que sobreexpresan ACAP1 y PIP5K1C muestran la formación de estructuras tubulares derivadas de las membranas endosómicas. **PTM:** La fosforilación en Ser-554 por PKB es necesaria para la interacción con ITGB1, la exportación de ITGB1 desde los endosomas de reciclaje a la superficie celular y la migración celular dependiente de ITGB1. **Similitud:** Contiene un dominio Arf-GAP. **Similitud:** Contiene un dominio BAR. **Similitud:** Contiene un dominio PH. **Similitud:** Contiene 3 repeticiones ANK. **Subunidad:** Interactúa con ARF6 unido a GTP. Interactúa con el tercer bucle citoplasmático de SLC2A4/GLUT4. Interactúa con CLTC. Interactúa con GULP1. Forma un complejo con ARF6 y GULP1 unidos a GDP. **Especificidad tisular:** Nivel máximo en pulmón y bazo. Nivel mínimo en corazón, riñón, hígado y páncreas.

Área de Investigación

Endocitosis;

Datos de Imagen



Análisis de Western Blot de HeLa tratada o no mediante lisis por LPS, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.