

Nombre del Producto: Anticuerpo monoclonal de ratón TBP**Nº de Catálogo: AMM82273**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo monoclonal de ratón
Huésped	Ratón
Aplicación	WB,IHC,ICC,ELISA,FC
Reactividad	Humano
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	Mouse IgG1
Clonalidad	Monoclonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Anticuerpo purificado en PBS con azida sódica al 0,05 %
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:200-1:1000,ICC 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000,FC 1:200-1:400
Peso Molecular	37.7kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	TBP
Nombres Alternativos	HDL4; GTF2D; SCA17; TFIID; GTF2D1
ID del Gen	6908.0
ID SwissProt	P20226
Inmunógeno	Fragmento recombinante purificado de TBP humana (AA: 1-144) expresado en E. Coli.

Antecedentes

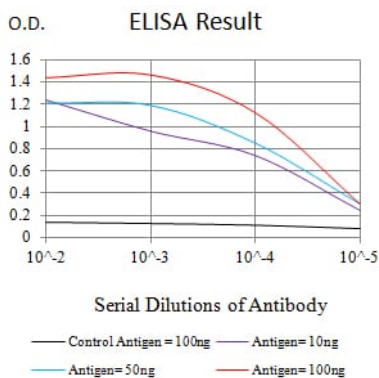
La iniciación de la transcripción por la ARN polimerasa II requiere la actividad de más de 70 polipéptidos. La proteína que

coordina estas actividades es el factor de transcripción IID (TFIID), que se une al promotor central para posicionar correctamente la polimerasa, sirve como andamio para el ensamblaje del resto del complejo de transcripción y actúa como canal para las señales reguladoras. El TFIID está compuesto por la proteína de unión a TATA (TBP) y un grupo de proteínas conservadas evolutivamente conocidas como factores asociados a TBP o TAF. Los TAF pueden participar en la transcripción basal, actuar como coactivadores, funcionar en el reconocimiento del promotor o modificar los factores de transcripción generales (GTF) para facilitar el ensamblaje del complejo y la iniciación de la transcripción. Este gen codifica TBP, la proteína de unión a TATA. Una característica distintiva de TBP es una larga cadena de glutaminas en el extremo N-terminal. Esta región de la proteína modula la actividad de unión al ADN del extremo C-terminal, y la modulación de la unión al ADN afecta la velocidad de formación del complejo de transcripción y el inicio de la transcripción. El número de repeticiones CAG que codifican el tracto de poliglutamina suele ser de 25 a 42, y la expansión del número de repeticiones a 45-66 aumenta la longitud de la cadena de poliglutamina y se asocia con la ataxia espinocerebelosa 17, un trastorno neurodegenerativo clasificado como enfermedad de poliglutamina. Se han encontrado dos variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, julio de 2016]

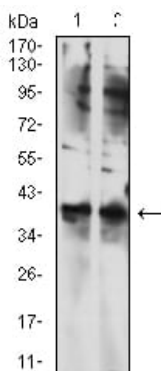
Área de Investigación

-

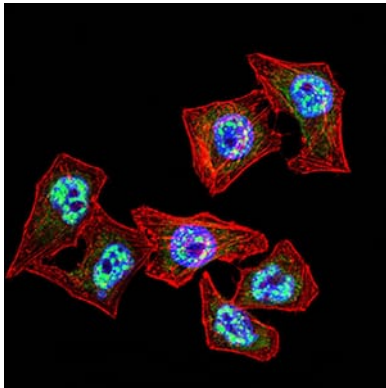
Datos de Imagen



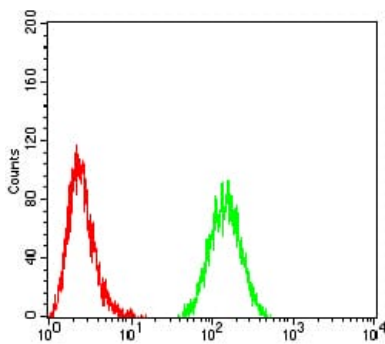
Línea negra: Antígeno de control (100 ng); Línea morada: Antígeno (10 ng); Línea azul: Antígeno (50 ng); Línea roja: Antígeno (100 ng)



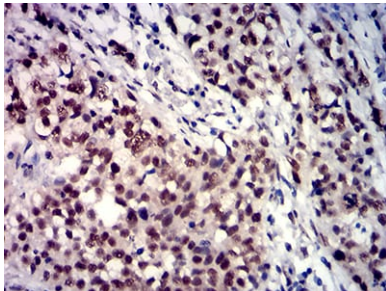
Análisis de transferencia Western utilizando mAb de ratón TBP contra lisado de células NIH/3T3 (1) y SK-N-SH (2).



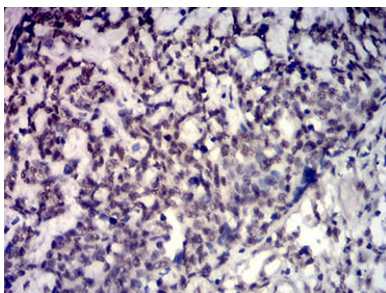
Análisis de inmunofluorescencia de células Hela con mAb de ratón TBP (verde). Azul: Colorante fluorescente de ADN DRAQ5. Rojo: Los filamentos de actina se han marcado con Alexa Fluor-555 faloidina.



Análisis citométrico de flujo de células Hela utilizando mAb de ratón TBP (verde) y control negativo (rojo).



Análisis inmunohistoquímico de tejidos de cáncer de vejiga humano incluidos en parafina utilizando mAb de ratón TBP con tinción DAB.



Análisis inmunohistoquímico de tejidos de cáncer esofágico humano incluidos en parafina utilizando mAb de ratón TBP con tinción DAB.