

**Nombre del Producto:** Anticuerpo monoclonal de ratón de lisina panmetilada (mixta)  
**Nº de Catálogo:** AMM06167

Solo para uso en investigación.

## Resumen

<b>Descripción</b>	Anticuerpo monoclonal de ratón
<b>Huésped</b>	Ratón
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF
<b>Reactividad</b>	Independiente de la especie
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Metilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Monoclonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	PBS, pH 7,4, que contiene 0,5% de proteína protectora, 0,02% de nuevo tipo conservante N como conservante y 50% de glicerol.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

## Aplicación

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:1000-1:2000,IHC 1:200-1:500,ICC/IF 1:50-1:200
<b>Peso Molecular</b>	-

## Información del Antígeno

<b>Nombre del Gen</b>	-
<b>Nombres Alternativos</b>	-
<b>ID del Gen</b>	-
<b>ID SwissProt</b>	-
<b>Inmunógeno</b>	Proteína conjugada

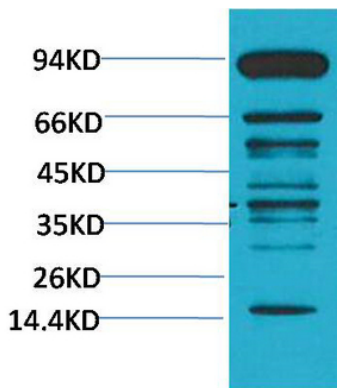
## Antecedentes

La metilación de residuos de lisina es una modificación postraduccional reguladora (PTM) común que resulta en la mono-, di- o

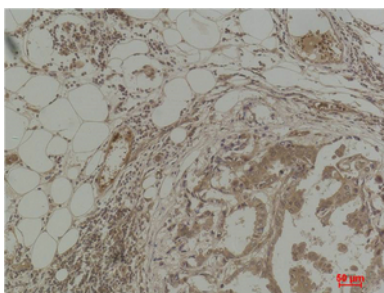
tri-metilación de la lisina en grupos  $\epsilon$ -amina por las metiltransferasas de proteína lisina (PKMT). Se reconocen dos grupos de PKMT con base en la estructura y el mecanismo catalítico: las metiltransferasas de clase I o enzimas de siete cadenas  $\beta$ , y las metiltransferasas de clase V que contienen el dominio SET. Ambas utilizan el donante de metilo S-adenosil-L-metionina para metilar proteínas histonas y no histonas. Las metiltransferasas de clase I metilan aminoácidos, ADN y ARN. Se distinguen seis familias de proteínas que interactúan con metil-lisina con base en los dominios de unión: mBT, dedo PHD, Tudor, PWWP, repetición WD40 y cromodominios. Muchas de estas muestran preferencias de unión diferenciales con base en el estado de metilación de la lisina. Las desmetilasas de lisina de la subfamilia KDM1 catalizan la desmetilación de lisinas mono y dimetil, mientras que las enzimas de la subfamilia JmjC (KDM2-7) dependientes de 2-oxoglutarato también modifican los residuos de lisina trimetil.

## Área de Investigación

### Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de Hela utilizando el anticuerpo monoclonal pan-lisina metilada.



Análisis inmunohistoquímico del carcinoma de mama humano incluido en parafina utilizando el anticuerpo monoclonal pan-lisina metilada.