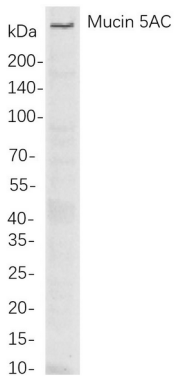


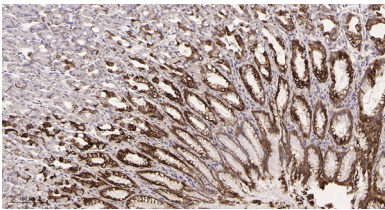
는 이러한 양의 적절한 접합 이상과 정상 소체 복구가 출에 발생할 수 있는 다면역후형(DTM): C-말에이 단 단백질은 분 구조에서 특이성 단백질은 근하지 않음 다해 정는 분 구조의 상부에 증
 가한다. 잘 드로 연 단백질 차이에 연결 수 있는 반응 그룹 생성된다. 유성 1 개 CTCK(C-말사 단백질) 도 단백 포함 다. 유성 2 개 MWFC 도 단백 포함 다. 유성 4 개 MWFD
 도 단백 포함 다. 소위 다중 위상과 배색도 및 삽자 장위 점아 형질(GMD)에 결합한다. 단백질과 상호 작용 다. 조직성 호환 및 위상과 표면 장에서 그로 발된다. 예외 중서 과함된다.
 또한 배색도 삽자 장위 삽자 장에도 발된다.

연구 분야

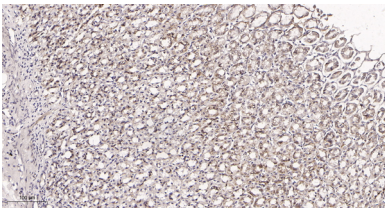
이미지 데이터



HT-29 세포 용출물 이용 위상 단백질 분석 (뮤 5AC 보 단백질 형 사용. 항체 결합은 HRP 접합 항체 IgG 항를 사용했다.



파킨포틴 위 조직의 면역 조직 화학 분석 1. 뮤 5AC 보 단백질 항를 1:200 오후 하 4°C 에 하 16시간 반응했다. 2. EDTA pH 9.0 용를 사용하여 항를 화했다 (>98°C, 20 분. 3. 차 항를 1:200 오후 하 하여 실온에 30 분 반응했다.



파킨포틴 위 조직의 면역 조직 화학 분석 1. 뮤 5AC 보 단백질 항를 1:200 오후 하 4°C 에 하 16시간 반응했다. 2. EDTA pH 9.0 용를 사용하여 항를 화했다 (>98°C, 20 분. 3. 차 항를 1:200 오후 하 하여 실온에 30 분 반응했다.