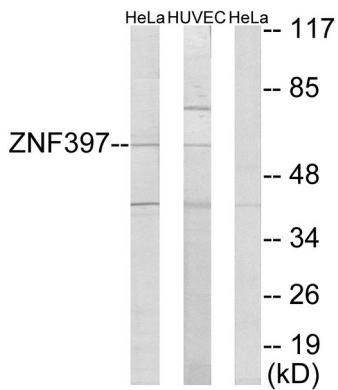


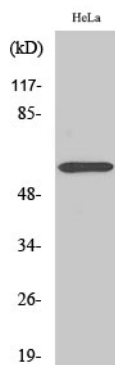
. [RefSeq 제2009년10월, 기능 아미노산은 DNA의 손상처에 인식된다. PTM: DNA 손상 ATM 또는 ATR에 의해 인산화된다. 유성 특이적 C2H2형 아미노산 결합을 포함한다. 유성 1개 SCAN 박스 도메인을 포함한다. 유성 9개 C2H2형 아미노산 결합을 포함한다. 소위 아미노산 과잉은 DNA 손상 신호를 유도할 수 있다. 아미노산의 중간 결합은 SCAN 도메인의 존재에 따라 달라진다. 조직 특이성 표현이 강하게 발현되고 골수, 척추 및 신장에서 주로 발현되며 심장, 태반, 간, 신장, 방광 및 췌장에서 약하게 발현된다.

연구 분야

이미지 데이터



HeLa 및 HUVEC 세포 용출물 ZNF397 항를 사용하여 단백질 분석했다. 오른쪽은 항편이로 처리했다.



ZNF397 단백질 용출물 용해액의 단백질 분석에 대한 1:20000 희석하였다.