

제품명: SRRM1 토끼 다클론 항체

카탈로그 번호: APRab18286

연구용 전용

요약

| | |
|----------|---|
| 설명 | 토끼 다클론 항체 |
| 숙주 | 토끼 |
| 적용 | WB, ELISA |
| 반응성 | 인간 |
| 결합 | 비결합 |
| 변형 | 수정치 없음 |
| 아이소타입 | IgG |
| 클론성 | 다클론 |
| 형태 | 액체 |
| 농도 | 1mg/ml |
| Storage | Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12 개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오. |
| Shipping | Ice bags |
| 버퍼 | 글리세롤 50%와 산구방제 N 0.02%를 함유한 PBS 용액 |
| 정제 | 천상정제 |

적용

| | |
|-------|---------------------------------------|
| 희석 비율 | WB 1:500-1:2000, ELISA 1:5000-1:20000 |
| 분자량 | 99kDa |

항원 정보

| | |
|--------------|--------------------------|
| 유전자명 | SRRM1 SRM160 |
| 다른 이름 | - |
| 유전자 ID | 10250.0 |
| SwissProt ID | Q8IYB3 |
| 면역원 | 인간 단백질의 일부에서 유래한 합성 펩타이드 |

배경

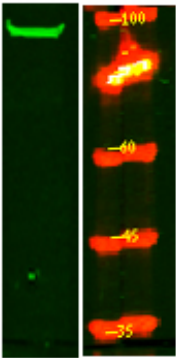
각각 스몰 인트론 스플라이싱 mRNP 복합체 구성 요소이다. 수은 전령 RNA(pre-mRNA) 처리 과정에 관여한다. 스몰 인트론의 선택적 인자(SR 계열 단백질 SFRS4, SFRS5 및 TRA2B/SFRS10)와 기본 snRNP 인자(SNRP70 및 SNRPA1)를 연결하여 구성 스몰 인트론 및 인트론 스몰 인트론(ESE) 의존적 스몰 인트론을 촉진한다. 인트론 복합체 형성 과정에서 mRNA 3' 말단을 자른다. 전령 RNA와 스몰 인트론 모두는 snRNP에 20-25nt 상위에 결합한다. RNA와 DNA에는 선택적으로 결합하여 증가되는 단일 결합기질이다.

해유한신호를 보인다. 유점 스포팅인 SR 계열에 속한다. 유점 1 개위 PWI 도메인을 포함한다. 소위 스포팅인 SR 복합체 복합체였으며, 적어도 AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604 로 구성된 LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 및 CCHC8. SFRS4, SFRS5, SNRP70, SNRPA1, SRRM1 및 SRRM2 외핵 전사 RNA(pre-mRNA) 스포팅 복합체 발된다. SNRP70, SNRPA1, SRRM1 및 TRA2B/SFRS10 과핵 전사 RNA 인 스포팅 인자(ESE) 복합체 발된다. DEK, PRPF8, NCBP1, RBM8A, RNPS1, SRRM1 및 THOC4 외핵 mRNA 스포팅 인자 복합체(EJC)에 발된다. BAT1, CPSF1, RBM8A, RNPS1 및 THOC4 외핵 발된다. ATP 의존적으로 세포에서 발하는 RNA 수출 복합체 구성요인으로 보인다. 가능 전 및 후 스포팅 인자 중 단일 mRNA 복합체 구성요인이다. 유점 스포팅 RNA 처리에 관여한다. 세특기(SR 계열 단백질 SFRS4, SFRS5 및 TRA2B/SFRS10) 및 snRNP(SNRP70 및 SNRPA1) 인자를 결합하여 구성 및 스포팅 인자(ESE) 의존적 스포팅 인자를 촉진한다. 유점 복합체 구성요인이다. mRNA 3' 말단을 자른다. 유점 복합체 20-25 nt 상위에 전사 RNA(pre-mRNA)와 스포팅 mRNA 도메인 결합한다. RNA와 DNA 에는 시열 특성으로 결합하여, 이 중 각각은 단일 가닥인 것 같다. 해유한신호를 보인다. 유점 스포팅인 SR 계열에 속한다. 유점 1 개위 PWI 도메인을 포함한다. 소위 스포팅인 SR 복합체 복합체였으며, 적어도 AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604 로 구성된 LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 및 CCHC8. SFRS4, SFRS5, SNRP70, SNRPA1, SRRM1 및 SRRM2 외핵 전사 RNA(pre-mRNA) 스포팅 복합체 발된다. SNRP70, SNRPA1, SRRM1 및 TRA2B/SFRS10 과핵 전사 RNA 인 스포팅 인자(ESE) 복합체 발된다. DEK, PRPF8, NCBP1, RBM8A, RNPS1, SRRM1 및 THOC4 외핵 mRNA 스포팅 인자 복합체(EJC)에 발된다. BAT1, CPSF1, RBM8A, RNPS1 및 THOC4 외핵 발된다. ATP 의존적으로 세포에서 발하는 RNA 수출 복합체 구성요인으로 보인다.

연구 분야

후유한신호 발 DNA/RNA; RNA 가공 스포팅

이미지 데이터



HeLa 세포에서 SR 단백질의 세포 내 분포를 관찰하기 위해 1 차형은 1:10000 으로 희석하여 사용했다. 2 차형은 1:10000 으로 희석하여 사용했다.