

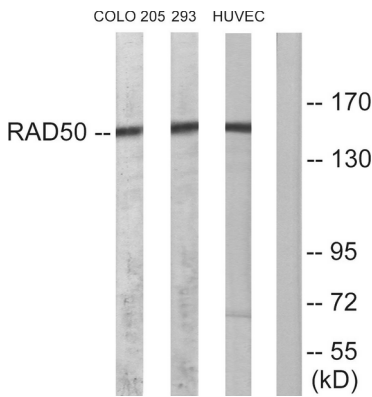


유기질산염입니다.[RefSeq 제공 2010년 4월, 보온자 중양양이 연구된 것을 포함한다. 또한 큰 분자 구조를 분석하는 연구에서 2개의 사슬이 존재하며 이전에는 다른 RAD50 분자의 연구에서 2개의 사슬이 존재하는 것으로 밝혀졌다. 1개의 사슬이 V형 중양양을 형성한다. ATP 결합 도메인을 구성하는 중양양 두머리는 MRE11A 중양양 상충한다. 가능 중양양 (DSB) 복구 DNA 재조합 탈피어 무결성 및 감수분배 중점 역할을 한다. MRN 복합체 구성요소이다. 이 복합체는 MRE11A에 의해 형성된 단일 가닥 DNA를 제거하여 3'-5' 엑소뉴클레아제를 가지고 있다. RAD50은 DNA 말단에 결합하여 사슬이 유전자로 유전하는 데 필요할 수 있다. 이는 재조합 DNA 중양양을 형성하는 것을 용이하게 하고 DNA 리아제 활성을 저해한다. MRE11A의 뉴클레아제를 제거하면 장기간에 뉴클레아제를 할 수 있다. 또한 이 복합체는 ATM 키네아제를 통한 DNA 손상 신호를 전달할 수 있다. 탈피에서 MRN 복합체는 큰 결절을 조절할 수 있다. 가파른 비아극 E4 검역시 MRN 복합체는 비아극 중점 탈피에 결합한다. 또한 이 복합체는 비아극 가늘고 긴 인출 방향이다. PTM: DNA 손상시 ATM 또는 ATR에 의해 인산화된다. 세포주기 조절 인자이다. 장기간 풀리아 세포이다. 유성 SMC 결합한다. RAD50이형 유성 이형은 또한 1개의 복합체 사슬 내의 유성 결핵 후핵내 특정 유전자에 의해 조절된 단일 NBN과 결합한다. 이 중양양 RAD50/MRE11A 로 구성된다. MRN 복합체 구성요소 BRCA1, MSH2, MSH6, MLH1, ATM, BLM, RAD50, MRE11A 및 NBN으로 구성된 BASC 복합체 구성요소 TERF2와 복합체를 형성한다. RINT1과 상호작용한다. N-말단 도메인에는 BRCA1과 상호작용한다. DCLRE1C/Artemis와 상호작용한다. 조직 특성이 다른 조직에서 매우 낮은 수준으로 발현되지만, 고혈압은 높은 수준으로 발현된 심부 조직에서 관찰된다.

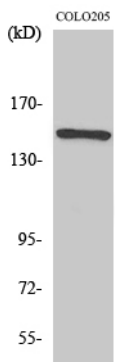
## 연구 분야

상동재조합, 비동양 결합

## 이미지 데이터



COLO205, 293 및 HUVEC 세포를 사용하여 단백질 분석을 수행했다. 오른쪽은 합성 펩타이드이다.



Rad50 단백질 1:1000으로 희석하여 단백질 분석을 수행했다.