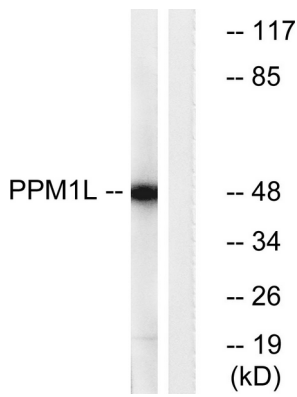


. 이 유전체는 서드라이프를 통한 유전체 분석에 적합합니다 [RefSeq 제공 2015년 12월, 최형성 인산염 + H₂O = 단백질 + 인산 보인자 소위체 + 마늘 또는 망고 잎 개질
 ., 가능 MAP3K7/TAK1 및 MAP3K5와 결합하여 인산화하고, MAP3K7/TAK1 과 MAP2K4 또는 MAP2K6 의 결합을 약화시킴으로써 SAPK 신호 전달 경로의 억제에 작용함. 유성
 PP2C 계열에 포함 유성 PP2C 유도체인 개포함 소위체 MAP3K7/TAK1 과 상호작용하여, MAP3K5와 상호작용, 조특성 발현은 심한 태반 폐간 생 및 장에서 높은 발현을 보
 임

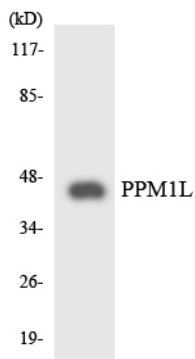
연구 분야

-

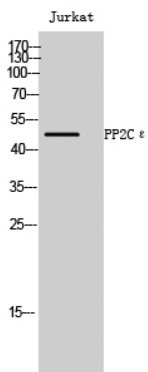
이미지 데이터



Jurkat 세포 용출물 PPM1L 항체를 사용하여 단백질 분석했다. 오른쪽에 한 랩이 표시되어 있다.



PPM1L 항체를 사용하여 HepG2 세포 용출물에서 단백질 분석했다.



PP2Cε 다른 항체를 사용하여 Jurkat 세포 용출물에서 단백질 분석했다.