

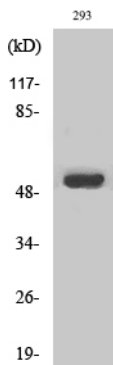


. 이 유전자는 11 번염색체에 있는 MMP 유전자 클러스터의 일원이다. 이 유전자 돌연변이는 만성 폐쇄성 폐질환(COPD)과 관련이 있다. 대체 스플라이싱을 통해 여러 전사 변이체 생성되며, 이중 적어도 하나는 단백질 분해 과정을 거치는 아형으로 암호화된다. [RefSeq 제 2016 년 1 월, 축적형 분자 클러스터의 4 분 B 접합 N-말단에서 775-Gly-Ile-776 위치(알파1(I) 시퀀스)에서 글리신 중단을 절단한다. P1' 아형은 인간 간질 부위에 항상 접합되며, 마르모를 절단한다. 보조인자 소위 체면은 2 가를 절단한다. 보조인자 소위 체면 길은 4 가를 절단한다. 또한 시테인 위치 도미에 존재하는 보조인자 체면은 올가미 효소를 억제한다. 활성화된 비활성 시테인이 체면은 체면 면을 활성화한다. 또한 이 단백질은 두 가지 서로 다른 도미에 있다. 축적형 유전 N-말단 접합성 및 TIMP(공인 단백질 분해 억제제) 결합에 대한 C-말단 구조이다. 효소 절단 활성화된 단백질을 재차 절단할 수 있다. 기능 나형 도미인 한 부에서 형 2 형 3 형을 절단한다. 또한 7 형과 10 형을 절단한다. HIV 감염 시 분해는 Tat 단백질 상호작용을 형성하여 신경세포의 Tat 매개 신경을 감소시킨다. 온인 정보 관련 분해는 항목 PTM: 지방산을 통해 두 가지 주형(22kDa 및 27kDa)로 분해된다. 소형형(25kDa)은 22kDa 형에 동일하다. 27 kDa 형은 활성이 없으며 22/25 kDa 형은 글리세롤에 활성화될 수 있다. 유점 단백질 체면 M10A 결합에 결합한다. 유점 4 개 체면은 인위 도미를 포함한다. 소위 HIV-1 Tat와 상호작용한다.

## 연구 분야

PPAR; 암 관련 경로; 방광암

## 이미지 데이터



MMP-1 단백질 항를 이용한 다양한 세포의 웨스턴 블롯 분석