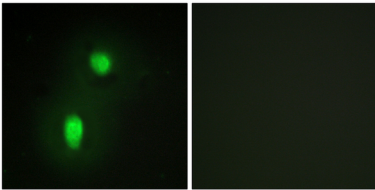


[RefSeq 제2008년7월 기준] pre-mRNA에 결합하여 40S hnRNP 압축을유한다. 단일 HNRNPC 단백질은 230-240개의 뉴클레오타이드를결합한다. HNRNPC 단백질은 700개의 뉴클레오타이드를결합한다. 스플라이싱조립및전장 RNA(pre-mRNA) 스플라이싱의조립단계에관여한다. mRNA의 5'-UTR 또는 3'-UTR 에는 폴리U 서열상호작용여결합 mRNA 분자의정기반복수를조절한다. PTM: 후기 세포에서 Ser-260 과 Ser-299 에 인산화된다. 과산화에민용이 Ser-253 과 238 번위의 폴리Ser 서열내 1개의사린에서인산화된다. PTM: 수인산화된다. 수인산화 mRNA 에 대한화합을감소시킨다. 유성 RRM HNRPC 계열에속한다. RALY 이항 유점 1개의 RRM(RNA 인식도구) 도메인을포함 세포내위치 : 리보솜생성요구 소위 C1 동형 3개의 C2 동형 1개의 구조는사체 결합전장RNA 를포함하는 3개의사형이조립하여 HNRNPA2B1 서열상호작용하는 19S 복합체형한 40S hnRNP 압위구성요인 스플라이싱C 복합체형한이때 적어도 AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRNPA1, HNRNPA2B1, HNRPA3, HNRNPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRNPR, HNRNPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY 로구성된다. RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 및ZCCHC8.

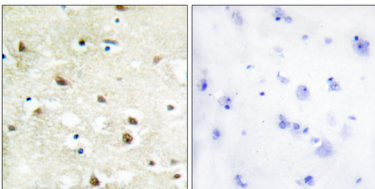
연구 분야

스플라이싱

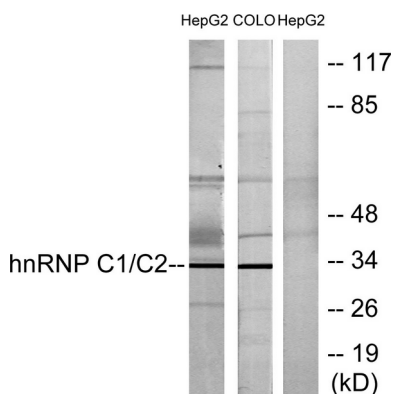
이미지 데이터



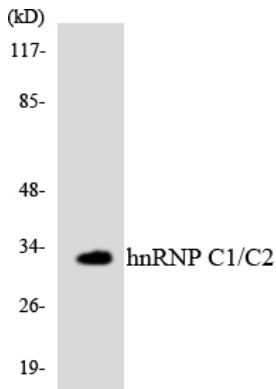
hnRNP C1/C2 항을이용한HUVEC 세포면형분석. 오른쪽은항체이로차단결입니다.



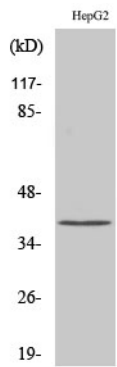
피부에포된양노조직에대한면형분석. hnRNP C1/C2 항을이용. 오른쪽은항체이로차단결입니다.



hnRNP C1/C2 항을이용한HepG2 및COLO205 세포용혈액의면형분석. 오른쪽은항체이로차단결입니다.



hnRNP C1/C2 항를 사용하여 HT-29 세포 용출액에 대한 웨스턴 블롯 분석을 수행했습니다.



hnRNP C1/C2 단백질을 1:2000으로 희석하여 HepG2 세포 용출액에 대한 웨스턴 블롯 분석을 수행했습니다.