

제품명: HMG-I/HMG-Y 토끼 다클론 항체

카탈로그 번호: APRab12118

연구용 전용

요약

설명	토끼 다클론 항체
숙주	토끼
적용	WB, IHC, ICC/IF, ELISA
반응성	인간 쥐 생체
결합	비결합
변형	수정치 없음
아이소타입	IgG
클론성	다클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12 개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글세롤 50%, 보르덴탈 0.5%, 산구방제 N 0.02% 를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

적용

희석 비율	WB 1:500-1:2000, IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:200-1:1000, ELISA 1:5000-1:10000
분자량	-

항원 정보

유전자명	HMGA1 HMG1Y
다른 이름	High mobility group protein HMG-I/HMG-Y (HMG-I(Y)); High mobility group AT-hook protein 1; High mobility group protein A1; High mobility group protein R)
유전자 ID	3159.0
SwissProt ID	P17096
면역원	인간 HMG-I/HMG-Y 에서 유래한 합성 펩타이드. 미소단 20-60

배경

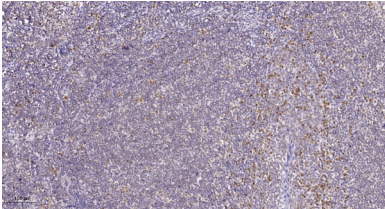
이 유전자는 유전자 전 조절로 알려진 염색체 통합 암의 전이 전에는 크로마틴 단백질을 암호화하는 다양한 단백질은 증가 DNA 의 AT 풍부 영역에서 특이적으로 결합한다. 이 유전자는 서로 다른 형을 암호화하는 여러 전사 변이체를 발현한다. 이 유전자의 유전자(pseudogene)는 여러 염색체에 복제되었다. [RefSeq 제 2016 년 1 월, 질병 HMGA1 과 관련된 염색체 상 10 페이스트]

오염에 침범된다. RAD51L1 과함계 염색(6;14)(p21;q23-24)가 나타남다. 가능 HMG-I/Y 는 이중가닥 DNA 의 A+T 풍부 영역에서 특이적으로 결합한다. 이 단백질은 글리코실레이션 조절 및 mRNA 전체의 3' 말단 부위에 결합할 수 있고 조절된다. 또한 이 둘은 A+T 가 풍부한 영역을 포함하거나 그 근처에 있는 유전자 전사 조절에 관여한다. 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 2 개 포함 PubMed:15302935, 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 3 개 포함 PubMed:15302935, 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 2 개 포함 PubMed:15302935, 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 2 개 포함 PubMed:15302935, 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 2 개 포함 PubMed:15302935, 질량 분석법 아탈기 1 개와 안키 2 개 포함 PubMed:15302935, PTM: 구조적으로 안정된 무거운 유에서 안정된다. DNA 손상 ATM 또는 ATR 에 의해 인산화는 것으로 추정된다. 세포멸종 단계에서 인산화 후 탈인산화 및 탈인산화는 크로틴 응축에 일한다. HMG-Y 의 상호 HIPK2 에 의해 인산화될 수 있다. (PTM: HMG-Y 는 메틸화되지 않는다. PTM: Arg-58 에 의해 메틸화 Arg-60 에 의해 메틸화 상호 배타적이다. 유성 HMG-A 계열에 속한다. 유성 3 개 A.T 후 DNA 결합 도메인을 포함한다. 소위 HIPK2 의 상호 작용 파트너(유성 제외). HIV-1 전염병 복합체 상호 작용한다.)

연구 분야

미생물학

이미지 데이터



파괴된 단백질은 단백질 크로마토그래피로 분리된다. 1. 항원화물용액 Tris-EDTA, pH 9.0 용액을 사용했다. 2. 항원:1:200 으로 희석하여 4°C 에서 1시간 동안 반응했다. 3. 이차 항원:1:200 으로 희석하여 실온에서 45 분 동안 반응했다.