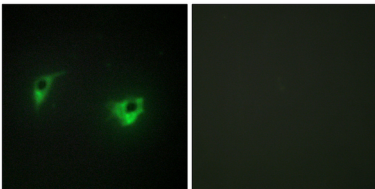


MAP4K4 에 의한 MAPK8 활성화는 MAP3K7/TAK1, MAP2K4/MKK4, MAP2K7/MKK7 의 유성체 돌연변이에 의해 차단된다는 것이 카이제 MAP3K7-MAP2K4-MAP2K7 카이제 카이제를 통해 사용되고 NF- α 신호 전달 경로를 매개할 수 있음을 시사한다. 또한 이 효소를 암호화하는 대체 유전자 변이체도 확인되었다. [RefSeq 자료 2008 년 7 월, 추적 참조 : ATP + 단백질 = ADP + 인산화 단백질 보조인자 + 미늘 가능 활성기로 및 TNF- α 와 같은 사이토카인에 반응할 수 있는 세포로 카이제 JUN N-말단 경로의 사용은 것으로 보인다. PTM: DNA 손상 ATM 또는 ATR 에 의해 인산화, 유성 단백질 카이제 수퍼말에 속한다. 유성 단백질 카이제 수퍼말에 속한다. STE 계열로 유성 단백질 카이제 수퍼말 (STE20 수퍼말) 유성 1 개 CNH 도메인을 포함한다. 유성 1 개 단백질 카이제 도메인을 포함한다. 소위 유성 단백질 Nck 의 SH3 도메인 상호작용 (유성)에 의해. CNH 조절 도메인을 통해 SPG3A 의 N-말단 부위에 결합한다. 조직 특성 조직된 조직 유형에서 발견되는 것으로 보아 결합하는 것으로 나타났다. 아이플5 는 아세로중하게 하고 아이플4 는 긴 골근 및 뼈에서 주로 나타난다.

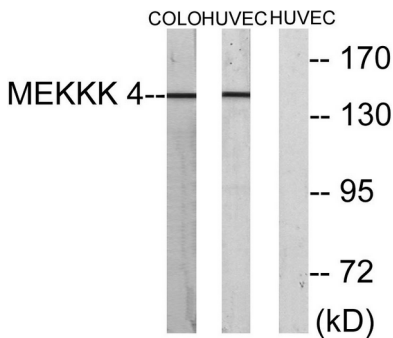
연구 분야

MAPK_ERK_상장 MAPK_G_단백질

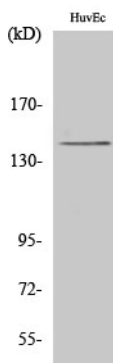
이미지 데이터



MEKK4 항체를 이용한 A549 세포의 면역형광 분석은 오른쪽 그림은 합성 펩타이드로 차단된 결과입니다.



HUVEC 및 COLO 세포를 MEKK4 항체를 사용하여 단백질 분석은 오른쪽 그림은 합성 펩타이드로 차단된 결과입니다.



HGK 다른 항체를 이용한 HuvEc 세포의 단백질 분석