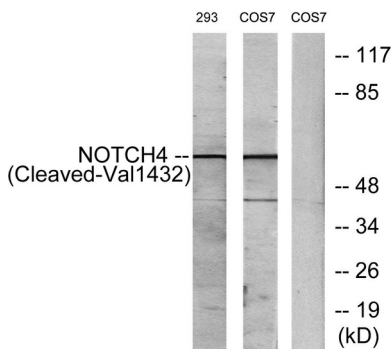


은이전신변이형성하며 중추계에서는 대체로 발달이 늦어짐에 따라서는 선천적으로 부족할 수 있다. 가능 막 결합 단백질인 Jagged1, Jagged2 및 Delta1 의 수용체 역할을 하며 표적 경로를 조절한다. Notch 세포내도메인(NICD)을 통해 리간드 활성화된 RBP-J kappa 의 전신활성화를 통해 다양한 유전자 중양자 유전자를 활성화한다. Notch 중 및 세포내도메인 활성화에 영향을 미친다. 발달 중 혈관계에서 Notch 발현을 조절할 수 있다. Notch NOTCH4 의 폴리류신 영역(신호관)은 다양한 단백질과 결합할 수 있는 가변적 도메인이다(6~12 개). PTM: 안티키프 PTM: 소포체에서 활성화된 후 세포내도메인 전이 단백질과 결합하여 유전자 발현에 대한 조절을 통해 리간드 결합으로 전환된다. 잘 알려진 C-말단단(N(TM))과 N-말단단(N(EC))이 생성된다. 리간드 결합 후, TNF-알파 신호(TACE)에 의해 잘린 Notch 세포내도메인(NEXT)과 같은 막 결합 중단을 생성한다. 다른 포스포타입은 다양한 세포내도메인에 잘린 후 세포내도메인(NICD)을 포함하는 유전자 발현을 조절한다. 유전자 NOTCH 계열에 포함된다. 유전자 28 개의 EGF 유전자에 포함된다. 유전자 3 개의 LNR(Lin/Notch) 반복을 포함한다. 유전자 5 개의 ANK 반복을 포함한다. 세포내도메인 단백질과 결합할 수 있다. 유전자 NICD는 핵로 이동한다. 소위 C-말단단(N(TM))과 N-말단단(N(EC))의 존재를 통해 다른 유전자 발현을 조절할 수 있다. 유전자 NOTCH4 의 전신 발현은 주로 MAML1, MAML2 및 MAML3와 상충된다. 조직성 성에 높은 수준으로 발현되고 폐에서 중간 수준으로 발현되며 각 골격 상층 방향을 조절한다. 골수 및 뼈에서는 낮은 수준으로 발현된다. 상외 뇌 및 척추에서는 발현이 관찰되지 않는다.

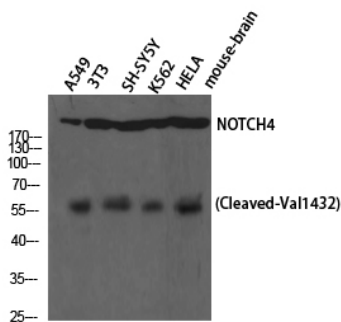
연구 분야

배추형성

이미지 데이터



이 실험에서 25µM 로 처리한 293 및 COS7 세포 용출물을 NOTCH4(Cleaved-Val1432) 항을 사용하여 웨스턴 블롯 분석했다. 오른쪽은 합성 펩타이드이다.



Cleaved-Notch 4 (V1432) 단백질 항을 1:1000으로 희석하여 A549 NIH-3T3 SH-SY5Y K562 HELA 세포에서 웨스턴 블롯 분석을 수행했다.