

제품명: CAF-1 p150 토끼 다클론 항체

카탈로그 번호: APRab07838

연구용 전용

요약

설명	토끼 다클론 항체
숙주	토끼
적용	WB, ELISA
반응성	인간
결합	비결합
변형	수정치 없음
아이소타입	IgG
클론성	다클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글세롤 50%, 보르덴탈 0.5%, 산구방제인 0.02%를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

적용

희석 비율	WB 1:500-1:2000, ELISA 1:5000-1:20000
분자량	150kDa

항원 정보

유전자명	CHAF1A
다른 이름	CHAF1A; CAF; CAF1P150; Chromatin assembly factor 1 subunit A; CAF-1 subunit A; Chromatin assembly factor I p150 subunit; CAF-I 150 kDa subunit; CAF-I p150; hp150
유전자 ID	10036.0
SwissProt ID	Q13111
면역원	CAF-1 p150 에 사용된 항원 펩타이드: 에피소프 300-380

배경

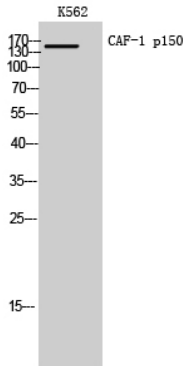
크로마틴 조립인자(CAF1)은 p50, p60(CHAF1B; MIM 601245) 및 p150(CHAF1A) 소단위 구성 핵 복합체로 인간에서 발견된 DNA 에피소프 8 량을 조립한다(Kaufman et al., 1995 [PubMed 7600578]). [OMIM 제 2008 년 3 월, 대체물 알부민 단백질에 대한 참조에 부속할 수 있음, 별다른 활성 부위는 G1, S 및 G2 단계에서 발견됨] 또한

크로마틴유도인자상작용에 필요한 Pro-Xaa-Val-Xaa-Leu(PxVxL) 도타를 하나 포함 이 도타는 크로마틴유도인자접촉는 중 Val 의 위치 잔기 -7, -6, +4 및 +5 를 필요함 다 가능 : CAF-1 복합체 핵심 구성으로 DNA 복제 및 DNA 복제시 크로마틴 구조를 매개하는 것으로 알려져 있습니다. 세포 내에서 복제 중인 DNA 에 하톤 8 량을 조립합니다. CAF-1 은 뉴클레오솜 조립 과정의 첫 번째 단계 를 수행하여 뉴클레오솜 하톤 H3 및 H4 를 복제 중인 DNA 로가용 다 하톤 H2A/H2B 는 DNA 복제후에 크로마틴 전체에 결합하여 하톤 8 량을 안정화시킬 수 있습니다. CHAF1A 는 하톤 H3 및 H4 에 결합합니다. 이는 뉴클레오솜 cbx 단백질이 염색체 DNA 복제 조절로 가용 크로마틴에 이질 염색체에 결합할 수 있게 합니다 (유형에 근거). CCR4-NOT 복합체는 알전사 조절 복합체입니다. 또한 비인산 수용체 (VDR) 에 의해 조절되는 크로마틴 재구성 복합체 WINAC 복합체와 결합하며 비인산 수용체 조절에 관여하며 CYP27B1 유전자 발현을 조절하며 VDR 매개 전사 억제에 관여합니다. PTM: DNA 손상 시 인산화되며 ATM 또는 ATR 에 의해 인산화될 수 있습니다. 세포열 충격 시 열 충격 단백질 426 변체와 유사하게 작용하는 장기간 열 충격 단백질 A 열 충격 단백질 변형인-말이 형성된 유형 CHAF1A 계열에 포함 . 세포내에서 DNA 복제 조절 소위 동양체 RBBP4, CHAF1B 및 CHAF1A 를 포함하는 CAF-1 복합체입니다. CHAF1A 는 CHAF1B 에 직접 결합합니다. G1 기는 RBBP4 및 CHAF1A 및 CHAF1B 와 결합을 형성합니다. CHAF1A, CHAF1B, CNOT1, CNOT2, CNOT3, CNOT4, CNOT6 및 CNOT8 을 포함하는 CCR4-NOT 핵심 복합체 이 염색체입니다. CHAF1A 는 PCNA 및 CBX1 에 직접 결합합니다. MBD1 에 결합합니다. PxVxL 도타를 통해 CBX5 와 직접 상호 작용합니다. DNA 복제 과정에서 복제연 크로마틴 집합 DNA 메틸 하톤 H3 'Lys-9' 메틸을 촉진하는 S 기 특적 복합체를 형성하며 이 복합체는 주로 CHAF1A, MBD1 및 SETDB1 으로 구성됩니다. SMARCA2, SMARCA4, SMARCB1, SMARCC1, SMARCC2, SMARCD1, SMARCE1, ACTL6A, BAZ1B/WSTF, ARID1A, SUPT16H, CHAF1A 및 TOP2B 로 구성된 WINAC 복합체 이 구성요 소입니다.

연구 분야

후생유전학 및 핵산 구조

이미지 데이터



CAF-1 p150 단백질은 K562 세포의 단백질을 분석하여 약 1:20000 으로 확인되었습니다.