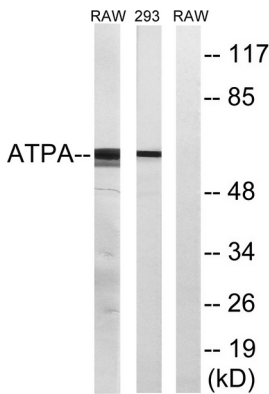


백질염화는 대체로 이온 채널에 특이적이지 않다. 이 경우 유전자 마커로 ATP 합성(F(1)F(0) ATP 합성 또는 복합(M)은 호흡사슬의 전 전달 복합체에 생성된 물을 기초로 양성자 펌프를 가진다. ADP로부터 ATP를 생성한다. F 합성소는 두 가지 구조로, 즉 막에 매복된 F(1)과 막 안쪽에 위치한 F(0)로 구성되며, 이들은 중추와 주변으로 연결되어 있다. 축삭돌출은 F(1)의 막에 매복된 ATP 합성 중추를 소위 화학 매커니즘을 통해 양성자가 이동된다. 알파 및 베타 소단위(F(1)의 축삭돌출형이다. 중추를 가진 알파(3) 베타(3) 소단위에 매복된 베타 소단위 세 가지로 다른 축삭돌출에서 ATP가 분해된다. 알파 소단위는 축삭돌출 ATP 결합 부위를 가지고 있지 않다. PTM: N-말단 치환된다. 양성 ATPase 알파/베타 사슬에 속한다. 세포내에서 주변막 단백질 소위 F 형 ATPase는 축삭돌출 CF(1)과 막상 채널 CF(0)의 두 가지 구성요소로 구성되어 있다. CF(1)은 알파(3), 베타(3), 감마(1), 델타(1), 엡시론(1)의 다섯 가지 소단위로 구성된다. CF(0)은 α , β , c의 세 가지 주요 소단위로 구성된다. ATPAF2 외상 유발된다. 조특성 태아 폐상강 장 상에 발된다. 태아 뇌막 척에서 높은 수준으로 발된다.

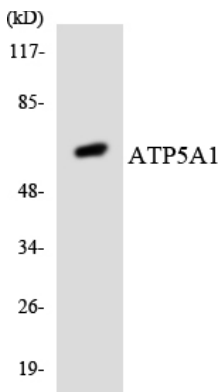
연구 분야

산화안화 알츠하이병 파킨슨병 헌팅턴병

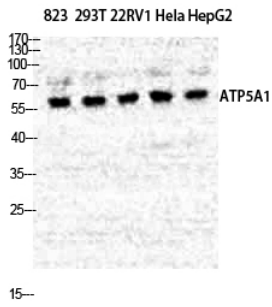
이미지 데이터



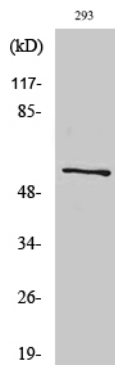
293 세포 RAW264.7 세포를 ATP5A1 항체를 사용하여 단백질 분석했다. 오른쪽은 합성 펩타이드이다.



HT-29 세포를 ATP5A1 항체를 사용하여 단백질 분석했다.



다양한 세포에 대한 ATP5A1 단백질 1:500 희석에 의한 웨스턴 블롯 분석을 수행했습니다.



RAW264.7 세포에 대한 ATP5A1 단백질 1:500 희석에 의한 웨스턴 블롯 분석을 수행했습니다.