

**제품명: Rad17(인산화 Ser646) 토끼 다클론 항체**

**카탈로그 번호: APRab05326**

연구용 전용

## 요약

설명	토끼 다클론 항체
숙주	토끼
적용	WB, IHC, ELISA
반응성	인산화 단백질
결합	비특이적
변형	인산화
아이소타입	IgG
클론성	다클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12 개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글세롤 50%, 보오덴탈 0.5%, 산구방제 N 0.02% 를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

## 적용

희석 비율	WB 1:500-1:2000, IHC 1:50-1:300, ELISA 1:2000-1:20000
분자량	-

## 항원 정보

유전자명	RAD17
다른 이름	RAD17; R24L; Cell cycle checkpoint protein RAD17; hRad17; RF-C/activator 1 homolog
유전자 ID	5884.0
SwissProt ID	O75943
면역원	인산화 Rad17 (인산화 Ser646) 주변에 합성된 인산화 펩타이드

## 배경

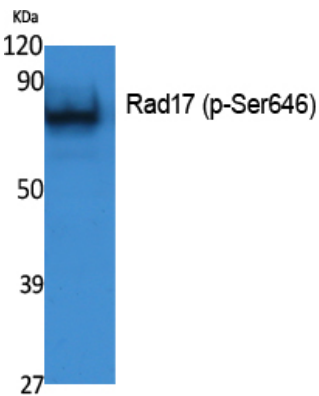
이 유전자에 의해 코딩된 단백질은 세포 주기 정지 및 DNA 손상 복구에 필요한 세포 주기 체크포인트 유전자인 Schizosaccharomyces pombe rad17 의 유전자 산물과 매우 유사하다. 이 단백질은 DNA 복제 억제 (RFC) 의 높은 유사성을 공유하며 RFC 와 복합체를 형성할 수 있다. 이 단백질은 DNA 손상 전에 염색체 결하고 손상 후 체크포인트 키나제 ATR 에 의해 인산화된다. 이 단백질은 DNA 손상 후 RAD1- RAD9- HUS1 체크포인트 단백질 복합체를 형성하며 이는 인산화에 결합할 수 있다. 이 단백질은 인산화 DNA 손상로 인한 세포 주기 G2 기정에 필수적이다. DNA 손상에 의해 체크포인트 단백질 표적 중

한 초 단계를 거칩니다. 유전 정보는 여러 대를 물려받거나 생체 내에서 새로 생성하여 이를 각각의 세포에 전달하는 과정이다. 가능 저유인 세포 손상 억제 단백질인 p53, 그리고 DNA 손상 ATR 의 존재가 DNA 손상에 필수적이다. 크로마틴 결합에 필요한 ATPase 활성을 가지고 있다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체 크로마틴 결합 및 CHEK1 활성화에 관여한다. 또한 DNA 복제 진행 시에 결합할 수 있으며 손상 제압에 관여할 수 있다. 유전자 손상에 의해 유된다(야아플1, 야아플3 및 야아플4). PTM: 인산화된다 Ser-646 및 Ser-656 에 의해 인산화 세포 주기 조절되며 유전자 손상에 의해 증가하고 크로마틴 손상을 활성화에 결합한다. 인산화는 산화제 또는 복제 장치 ATR 에 의해 매개된다. 반면 인산화는 산화제에서 ATR 과 ATM 도에 의해 매개될 수 있다. RAD1 과 상호작용하는 두 부위 독인화 필요하다. RFC3 또는 RFC4 의 상호작용은 필요하다. 유전자 rad17/RAD24 결합에 결합한다. 세포 내 위치 인산화는 DNA 손상 핵내 특정 부위에서 발생한다. 소위 RFC2, RFC3, RFC4 및 RFC5 를 포함하는 DNA 결합 복합체 일이다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체에서 RAD1 및 RAD9 의 상호작용한다. RAD9B, POLE, NHP2L1 및 MCM7 과 상호작용한다. DNA 손상은 ATR 또는 ATM 과 상호작용을 촉진한다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체 상호작용을 저해한다. 조특성 DNA 양자 및 결합에서 결합된다(단일 샷). 동형 단합 및 외동 단합 B 은 비조 세포에서 가장 흔한 동형 단합이다(단일 샷). 낮은 수준으로 예측이 존재한다. 고에는 높은 수준으로 발현되며 정관외 상에서 발현된다. 정중 고환에서는 약하게 발현된다.

## 연구 분야

세포 생물학

## 이미지 데이터



K562 세포 추출물을 Phospho-Rad17(S646) 단백질 항체를 사용하여 웨스턴 블롯 분석하였다.