

제품명: Rad17(인산화 Ser645) 토끼 다클론 항체

카탈로그 번호: APRab05325

연구용 전용

요약

설명	토끼 다클론 항체
숙주	토끼
적용	WB, IHC, ELISA
반응성	인산화
결합	비특이적
변형	인산화
아이소타입	IgG
클론성	다클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12 개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글리세롤 50%, 보오덴탈 0.5%, 산기방제 N 0.02% 를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

적용

희석 비율	WB 1:500-1:2000, IHC 1:50-1:300, ELISA 1:2000-1:20000
분자량	77kDa

항원 정보

유전자명	RAD17
다른 이름	RAD17; R24L; Cell cycle checkpoint protein RAD17; hRad17; RF-C/activator 1 homolog
유전자 ID	5884.0
SwissProt ID	O75943
면역원	이 항체는 Ser645 인산화유주형인 RAD17 유체항원만을 사용하였습니다. (아민산 번호 621-670)

배경

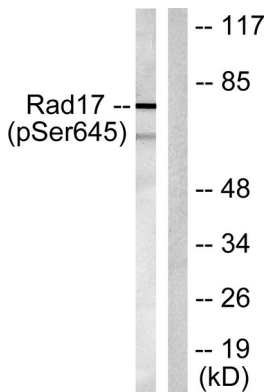
이 유전자에 의해 코딩된 단백질은 세포 주기 정지 및 DNA 손상 복구에 필요한 세포 주기 체크포인트 유전자인 Schizosaccharomyces pombe rad17의 유전자 산물과 매우 유사하다. 이 단백질은 DNA 복제 억제(RFC)와 높은 유사성을 공유하며 RFC와 복합체를 형성할 수 있다. 이 단백질은 DNA 손상 전에 염색체 결합과 상호작용을 통해 ATR에 의해 인산화된다. 이 단백질은 DNA 손상 후 RAD1-RAD9-HUS1 체크포인트 단백질 복합체를 형성하여 DNA 손상에 반응할 수 있다. 이 단백질은 인산화 DNA 손상로 인해 세포 주기 G2 기간에 필수적이다. DNA 손상에 의해 체크포인트 단백질의 발현이

한정된 단백질 접합이 유전적 변이로 인해 발생할 수 있으며, 이는 각각의 단백질 중 하나 또는 둘 이상의 유전자 발현 이상에 의해 발생할 수 있다. 크로마틴 결합 단백질인 ATPase 활성을 가지고 있다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체 크로마틴 결합 및 CHEK1 활성화에 관여한다. 또한 DNA 복제 진행을 억제할 수 있으며, 손상된 DNA에 결합할 수 있다. 유전자 X 선 조사에 의해 유도된다 (이소플로이, 이소플로이 및 이소플로이). PTM: 인산화된다. Ser-646 및 Ser-656 에 의해 인화. 세포 주기 조절 및 DNA 손상 반응에 관여한다. 세포 주기 조절 및 DNA 손상 반응에 관여한다. 인산화 단백질 또는 복제 장 ATR 에 의해 매개되는 반면, 인산화 단백질은 ATR 과 ATM 도에 의해 매개될 수 있다. RAD1 과 상호작용하는 두 부위 모두 인산화된다. RFC3 또는 RFC4 의 상호작용을 포함하지 않는다. 유전자 rad17/RAD24 계열에 속한다. 세포 내 위치 인산화는 DNA 손상 후 특정 부위에서 발생한다. 소위 RFC2, RFC3, RFC4 및 RFC5 를 포함하는 DNA 결합 복합체 일이다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체에서 RAD1 및 RAD9 와 상호작용한다. RAD9B, POLE, NHP2L1 및 MCM7 과 상호작용한다. DNA 손상은 ATR 또는 ATM 과 상호작용을 촉진한다. RAD1-RAD9-HUS1 복합체 상호작용을 저해한다. 조특성 DNA 양자 및 결합에서 결합된다 (단일 결합). 동형 단량체 및 이종 단량체 B 은 비특이적으로 가장 흔한 동형 단량체 (단일 결합). 낮은 수준으로 예측된다. 고형은 높은 수준으로 발현되며, 정량적 이상에서 발견된다. 정량적 이상에서는 예측된다.

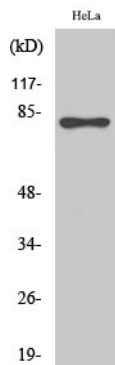
연구 분야

세포 생물학

이미지 데이터



UV 15'로 처리한 HeLa 세포 용출물에서 RAD17(Phospho-Ser645) 항을 사용하여 웨스턴 블롯 분석을 수행했다. 오른쪽은 인산화 단백질로 처리했다.



Phospho-Rad17(S645) 다른 항을 사용하여 HeLa 세포 용출물에서 웨스턴 블롯 분석을 수행했다.