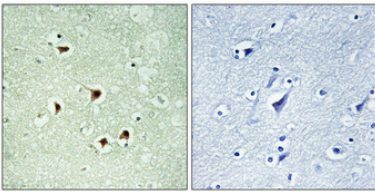


표준의 관이 있는 것으로 보이며, DNA 유전자 유전자 7 번 염색체 상에 위치한다. 대체로 이들을 통해 여러 전사 변이체가 생성된다. [RefSeq 제 2012년 8월 대체품 추적인 야형] 존재는 것으로 보임, 주위 에피크로틴은 Ensembl 자동 분석에 의해 얻은 것이므로, 에피크로틴에 대한 추가 실험을 통한 전사 조절자 핵심 서열 5'-CAC[GA]TG-3'을 인식하는 MYC 또는 MAD와 결합한다. DNA 결합 단백질 복합체는 MYC-MAX 복합체로 알려져 있다. MAD-MAX 복합체는 약한 H3-K9 하톤 메틸화 효소를 포함하는 크로틴 리모델링 복합체로 알려져 있다. PTM: 가역인 아세틸화 및 Max 복합체 활성을 조절할 수 있음. 유형 1 가역인 bHLH 단백질 (bHLH) 단백질 복합체 소위 효소인 DNA 결합 단백질 bHLH 단백질의 역할 포함 MYC 또는 MAD와 결합한다. DNA에 결합한다. G0에서 E2F6, MGA, MAX, TFDP1, CBX3, BAT8, EUHMTASE1, RING1, RNF2, MBLR, L3MBTL2 및 YAF2 로 구성된 E2F6.com-1 복합체 일원이다. SPAG9와 상호작용한다. 조직 특이성 뇌 손상 패시브 유전자 발현은 변이 감 상공역에서 낮은 수준으로 발현된다.

연구 분야

MAPK_ERK_상 MAPK_G_단백질 관련 연구 소개

이미지 데이터



표면에 표본은 조직 면적의 비율은 1:100 이하이며 4°C에서 1시간 동안 반응했다. 항원 처리는 0.1M Tris-EDTA, pH 8.0 용액 사용했다. 음성 대조 (조직)은 항체를 면원 없이로 전처리했다.