

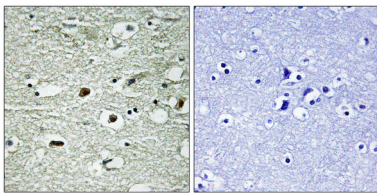


[RefSeq 제공 2008년 7월 기준] pre-mRNA에 결합하여 40S hnRNP 압착을 유도한다. 단일 HNRNPC 단백질은 230-240 개의 뉴클레오타이드를 결합한다. HNRNPC 단백질은 700 개의 뉴클레오타이드를 결합한다. 스플라이싱 조절 및 전사 RNA(pre-mRNA) 스플라이싱의 조절에 관여할 수 있다. mRNA의 5'-UTR 또는 3'-UTR에 있는 폴리U 서열 상 작용하여 결합 mRNA 분자의 안정성과 반수명을 조절한다. PTM: 후기 세포에서는 Ser-260 과 Ser-299 에 인산화된다. 과산화수소 반응에 의해 Ser-253 과 238 번 위치의 폴리Ser 서열 내 1 개의 세린 잔기에서 인산화된다. PTM: 수인화된다. 수인화는 mRNA에 대한 친화성을 감소시킨다. 유성 RRM HNRPC 계열에 속한다. RALY 이종 유점 1 개의 RRM(RNA 인식 도메인) 도메인을 포함하는 세포 내 위치: 리보솜에 결합하여 구성 요소 소위 C1 동형 3 개의 C2 동형 1 개로 구성된 사체 결합 전령 RNA를 포함하는 3 개의 사체 조합에 HNRNPA2B1 서열 상 작용하는 19S 복합체를 형성한다. 40S hnRNP 압착 구성 요소 스플라이싱 C 복합체 형성 및 조절에 관여한다. AQR, ASCC3L1, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRNPA1, HNRNPA2B1, HNRPA3, HNRNPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRNPR, HNRNPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY 로 구성된다. RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, WDR57, XAB2 및 ZCCHC8.

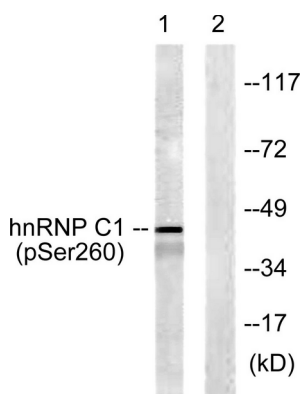
## 연구 분야

스플라이싱

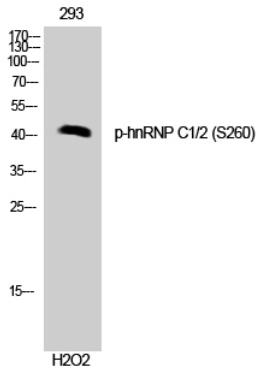
## 이미지 데이터



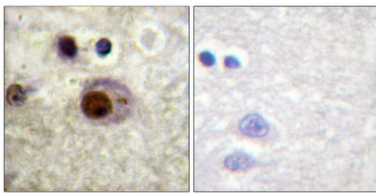
과산화수소 반응으로 인산화된 hnRNP C1/2(Phospho-Ser260) 항체를 사용하여 면역형광염색으로 세포 내 위치를 확인합니다.



100µM H<sub>2</sub>O<sub>2</sub>를 15분 동안 처리한 293 세포에서 hnRNP C1/2 (Phospho-Ser260) 항체를 사용하여 단백질 발현을 확인합니다. 오른쪽 면역형광염색으로 확인합니다.



Phospho-hnRNP C1/2 (S260) 다중항체를 사용한 293 세포의 Western blot 분석



표면에 표지된 항체는 조직면역조직화학 분석에는 1:100으로 희석하여 4°C에서 1시간 동안 반응시켰다. 항체는 0.1M Tris-EDTA, pH 8.0 용액에 용해했다. 음성 대조(오염)은 항체를 면역원 단백질로 대체하여 있었다.