

**제품명: Abl1(인산화 Tyr204) 토끼 다클론 항체**

**카탈로그 번호: APRab04195**

연구용 전용

## 요약

설명	토끼 다클론 항체
숙주	토끼
적용	WB, IHC, ICC/IF, ELISA
반응성	인산화 티로신
결합	비특이적
변형	인산화
아이소타입	IgG
클론성	다클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글리세롤 50%, 보르네올 0.5%, 산기방부제 N 0.02%를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

## 적용

희석 비율	WB 1:500-1:2000, IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
분자량	125(200kDa BCR-ABL complex)

## 항원 정보

유전자명	ABL1
다른 이름	ABL1; ABL; JTK7; Tyrosine-protein kinase ABL1; Abelson murine leukemia viral oncogene homolog 1; Abelson tyrosine-protein kinase 1; Proto-oncogene c-Abl; p150
유전자 ID	25.0
SwissProt ID	P00519
면역원	이 항체는 Tyr204 인산화 부위를 위한 Abl 유래 항원 펩타이드를 사용하여 생성되었습니다. 아민산 범위 156-205

## 배경

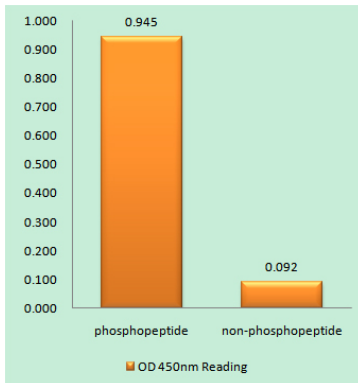
이 유전자는 세포 분열, 접착, 분화 및 세포 생존을 포함한 다양한 세포 과정에 관여하는 단백질 키나아제를 암호화하는 유전자입니다. 이 단백질 활성은 SH3 도메인에 의해 음적으로 조절되며, 이 도메인을 암호화하는 영역 결실은 종종 암과 관련이 있습니다. 이 단백질은 CDC2 매개 인산화에 의해 조절되는 DNA 결합을 가지며, 이는 세포 주기 기능과 관련이 있습니다. 이 유전자는 인간 배양에서 유전자 발현이 억제되어 암 발생에 기여합니다.

, 특히(9;22) 전위 BCR(MIM:151410) 유전자 5' 말단 부위를 결합한다. 유전자 대체 시 유전자 상 두 가지 변이 생성하여 이 둘은 내지 동역에 접하는 대체 변이를 포함한다. 촉매 활성 : ATP + [단백질-L-티로신] = ADP + [단백질-L-티로신 인산] 보인자 마다 속도는 낮다. 질병 ABL1 과다 발현에 의해 만성 골수성 백혈병(CML)의 원인이다(MIM:608232). BCR 을 포함하는 전위(9;22)(q34;q11). 이 전위 만성 골수성 백혈병(AML) 및 만성 골수성 백혈병(ALL) 에도 발현된다. BCR-ABL 을 생성한다. 효소 조절 SH3 도메인 SH2-TK 링 영역에 의해 결합한다. 또한 결합 상 작용에 의해 말단 티로신 및 인산염기기에 의해 활성 부위 안정된다. 자인화 및 SRC 계열 키아제에 의해 활성화된다. RIN1 이 SH2 및 SH3 도메인에 결합하여 활성화된다. 만성 골수성 백혈병(CML) 치료에 사용되는 티로신 키아제 억제제에 의해 억제된다. 기능 세포 분화 세포 분열 및 세포 증식 등 세포 골격 구성을 조절한다. 동일한 연구에 의해 CRK, CRKL, DOK1 및 세포 골격 역할을 조절하는 기타 단백질을 안정화한다. DNA 손상을 무성 복활수염 때 세포 분열을 억제하여 DNA 복제 조절 기능이 없다. 온인자 Abi 항류 PTM: PRKC 에 의해 안정화된다. 유성 DNA 손상 후 Abi 활성은 ATM 기능 Ser-446 안정화된다. HB 중 Gly-2 에 의해 안정화된다. Thr-735 에 의해 안정화 시 조절의 예를 위해 4-3-3 단백질 결합에 결합한다. 유성 단백질 키아제 슈크랄에 결합한다. 티로신 단백질 키아제 계열 유성 단백질 키아제 슈크랄에 결합한다. 티로신 단백질 키아제 계열 ABL 서브클래스 유성 1 계열 단백질 키아제 도메인을 포함한다. 유성 1 계열 SH2 도메인을 포함한다. 유성 1 계열 SH3 도메인을 포함한다. 세포 내 위치 마다 안정화된다. c-ABL 단백질을 억제하는 것으로 보인다. 14-3-3 단백질 상호작용을 통해 조절된다. 소위 인자 유성 SORBS1 과 상호작용한다. CDK5 및 CABLES1 을 포함하는 복합체에 결합된다. CABLES1 및 PSTPIP1 과 상호작용한다. ZDHHC16 과 상호작용한다(유성 1 계열). INPPL1/SHIP2 와 상호작용한다. 14-3-3 단백질 YWHAB, YWHAE, YWHAG, YWHAH, SFN 및 YWHAZ 와 상호작용하며 14-3-3 단백질 상호작용은 Thr-735 안정화되고 ABL1 을 세포 조절 기작 시킨다. 조직 특성 광범위하게 발현된다.

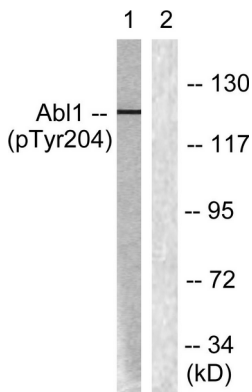
## 연구 분야

ErbB\_HER; 세포 주기 G1S; 세포 주기 G2M\_DNA; 축삭 유류 신경염; 방광 다발균 감염; 암 관련 기류; 만성 골수성 백혈병; 비악성 심낭염

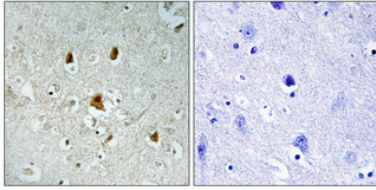
## 이미지 데이터



Abl(Phospho-Tyr204) 항를 사용한 면역인화 탐미(Phospho-left) 및 인화 탐미(Phospho-right)에 대한 호질 결합 분석법(Phospho-ELISA)



이 도에 0.5ug/ml 로 24 시간 후 COS7 세포 용출물 Abi(Phospho-Tyr204) 항를 사용하여 유성 단백질 분석하였다. 오른쪽은 인화 탐미로 처리하였다.



표면 단백질은 조직면역조직화학실험은 1:100으로 하여 4°C에서 1시간 반응시켰다. 항체는 고염 Tris-EDTA, pH 8.0 용액에 용해했다. 음성 대조(음성)은 항체를 면역원 없이로 전환하여 있었다.