

**제품명:** 감수분열 후 분리 증가 2(PMS2)(PT2116)마우스 단클론 항체

**카탈로그 번호:** AMM16377

연구용 전용

## 요약

설명	마우스 단클론 항체
숙주	생쥐
적용	WB, IHC
반응성	인간
결합	비결합
변형	수정치 없음
아이소타입	IgG
클론성	단클론
형태	액체
농도	1mg/ml
Storage	Aliquot 하여 -20°C 에 보관(12 개월 유효). 냉동/해동 반복을 피하십시오.
Shipping	Ice bags
버퍼	글리세롤 50%, 보르덴탈 0.5%, 산기방제 N 0.02%를 함유한 PBS 용액
정제	천상정제

## 적용

희석 비율	WB 1:200-1:1000, IHC 1:200-1:400
분자량	-

## 항원 정보

유전자명	PMS2 PMSL2
다른 이름	Mismatch repair endonuclease PMS2 (EC 3.1.-.-; DNA mismatch repair protein PMS2; PMS1 protein homolog 2)
유전자 ID	5395.0
SwissProt ID	P54278
면역원	인간 Postmeiotic Segregation Increased 2(PMS2)에서 유래한 항원 펩티드. 아미노산 범위 600-700

## 배경

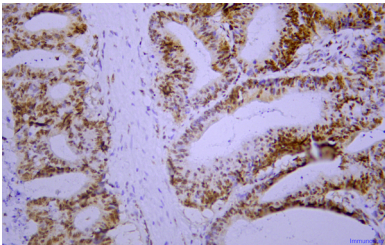
결함 PMS2 유전자 결함은 불임 증후군(MMRCS)[MIM:276300]의 원인이다. MMRCS는 투렛 증후군 및 중양 증후군 형(BTPS1)으로도 알려져 있다. MMRCS는 방대 장선 기관의 이상 증후군을 특징으로 하는 선형 상염색체성 결함이다. 때로는 과다 과색칠 및 과다 배아 접합이 있다. 결함 PMS2 유전자 결함은 양성 폐경기 대암 형(HNPCC4)[MIM:600259]

의원입니다. 하나의 유전자 돌연변이가 단독으로 조합하여 HNPCC 표현형 증후군(도함)을 유발할 수 없습니다. 일반적으로 HNPCC 환자는 MLH1 또는 MSH2 유전자 중 하나에 돌연변이가 있습니다. HNPCC는 상염색체 우성 전염 방식으로 발생하며, 흔히 증후군 특성을 나타내지 않습니다. 이 질환은 조혈병 대장암(CRC) 및 위장관 비가역적 이상생식계 등 다양한 부위에 발생하는 암에 대한 가족이 특징입니다. HNPCC는 세계에서 가장 흔한 유전성 대장암으로 알려져 있으며 전체 대장암의 15%를 차지합니다. HNPCC의 유전 양상은 종종 1종이 증가합니다. 일반적으로 HNPCC는 큰 결장(직장)으로 넓다. 제형 대장암에 대한 유전적 소인이 있으며 병변이 비교적 근대장에 많이 관찰됩니다. 제2형 대장암은 자궁 내막, 위장 위장, 피부, 후두 등 상조에서 암 발생 위험을 증가합니다. 전형적인 HNPCC 환자는 암 발생 시기에 근합니다. 즉 3명 이상이 가족성 대장암에 걸리고, 중년(평균 45세)에 첫 번째 암이 나타나며 2세대 이상에 걸릴 확률 50% 이전에 건양 대장암 발생과 유성 증후군(배설)에 해당합니다. HNPCC 의심 또는 불완전한 HNPCC라는 용어는 암 발생 시기를 증가시키지 않거나 부분적으로 증가한 대장암 유전적 소인이 강하게 의심되는 가족을 설명하는 데 사용될 수 있습니다. 가능 복제 후 DNA 불완전 복구(MMR)의 정교함입니다. MLH1 과이정량형 이상 MutL 알파를 포함합니다. DNA 복제 MutS 알파(MSH2-MSH6) 또는 MutS 베타(MSH2-MSH6)가 증가된 DNA 불완전 복구로 시작되고, 이후 MutL 알파가 정량형에 결합합니다. RFC와 PCNA가 존재하는 조건에서 MutL-MutS-이종 이중체 중 복합체 형성 PMS2의 인산화(이탈)가 발생합니다. 이는 불완전 유전적 소인이 갖는 결함을 유해하여 엑소시트 EXO1이 불완전 복구하는 것을 분할할 수 있는 새로운 전략을 생성합니다. DNA 매칭은 결함을 제거하여 새로운 DNA 가닥을 생성합니다. MuL 알파(MLH1-PMS2)는 DNA 중합효소의 오류를 보정하는 물리적 모상 형성하여 MuL 알파 MMR 부위 DNA 중합효소를 유도하는 역할을 할 수 있을 것입니다. 또한 DNA 손상 전이도 관련되어 있으며 이 과정은 주로 기장 유해하고 심각한 DNA 손상 시에 사멸을 유발할 수 있습니다. 유성 DNA 불완전 복구 mutL/hexB 계열에 해당합니다. 소위 PMS2와 MLH1의 과이정량형(MutL 알파, MutS 알파(MSH2-MSH6) 또는 MutS 베타(MSH2-MSH3)와 중합 복합체 형성 BRCA1, MSH2, MSH6, MLH1, ATM, BLM, PMS2 및 RAD50-MRE11-NBS1 단량체 복합체를 포함하는 BRCA1 관련 기능 감지 복합체(BASC)의 일부입니다. 이러한 결함은 세포주 및 핵 내 위양역에 이상을 초래하는 동안 고정될 수 있습니다.

## 연구 분야

후생유전학, 핵산 염기 DNA/RNA; DNA 손상 및 복구, 불완전 복구

## 이미지 데이터



표본에 포함된 염색 조건은 면역조직화학 분석 향는 1:200, 온도 4°C에서 밤샘 염색했다