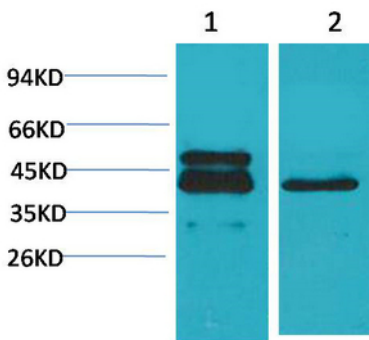


종AFH) [MIM:612160]과 관련이 있다. CREB1 유전자 유전적 변이 t(2;22)(q33;q12)는 EWSR1/CREB1 융합 유전자를 생성하여 이는 중앙 유형에서 가장 흔한 유전적 이상이다. 기능 이 단백질은 암 억제 및 세포 사멸에 관여하는 역할. cAMP 반응 요소(CRE)에 결합한다. CREB는 CRE에 결합한 전사를 저해한다. 전활화 Ser-133 인산화는 독립적으로 작용하는 TORC2 보활인 제에 의해 강하게 조절된다. 알기리듬을 조절한다. PTM: 인산화에 의해 저해된다. 상하핵(SCN)의 Ser-133 및 Ser-142의 인산화는 CREB의 활성을 조절하고 알기리듬 생애에 관여한다. Ser-133의 인산화는 CREBBP 결합을 가능하게 한다(유생에 의해). DNA 손상 ATM 또는 ATR에 의해 인산화된 유점 bZIP 계열에 포함 유점 1 개. bZIP 도메인을 포함 유점 1 개. KID(카이제유성) 도메인을 포함 소위 PPRC1 과성조용인 에게 형성 DNA에 결합하여 양친 마다 유에 의해 인산화된 bZIP 도메인을 통해 보활인자인 TORC1/CRTC1, TORC2/CRTC2 및 TORC3/CRTC3 외상조용인 Ser-133에 인산화된 CREBBP에 결합한다.

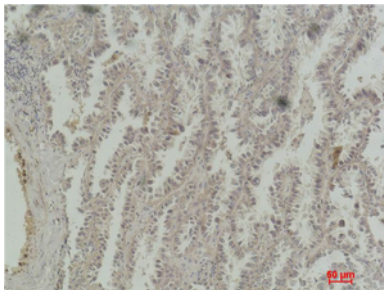
연구 분야

항암제 및 저산소성 환경에서 전암성

이미지 데이터



1) A431, 2) 3T3 세포에 대한 CREB-1 단백질 항체를 이용한 웨스턴 블롯 분석



CREB-1 단백질 항체를 이용한 면역조직화학 분석