

Produktname: V-ATPase D Kaninchen-Polyclonal-Antikörper**Katalog-Nr.: APRab19735**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	WB,ELISA
Reaktivität	Mensch, Maus, Ratte, Schwein
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Unverändert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000

tnis

Molekulargewicht 28kDa

Antigen-Informationen

Genname	ATP6V1D
Alternative Namen	ATP6V1D; ATP6M; VATD; V-type proton ATPase subunit D; V-ATPase subunit D; V-ATPase 28 kDa accessory protein; Vacuolar proton pump subunit D
Gen-ID	51382.0
SwissProt ID	Q9Y5K8
Immunogen	Synthetisiertes Peptid, abgeleitet von V-ATPase D, Aminosäurebereich: 70-150

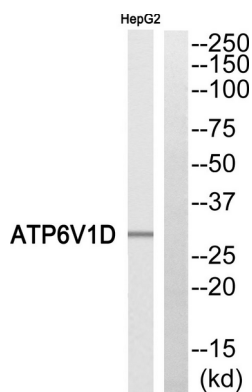
Hintergrund

Dieses Gen kodiert für eine Komponente der Vakuolen-ATPase (V-ATPase), einem aus mehreren Untereinheiten bestehenden Enzym, das die Ansäuerung eukaryotischer intrazellulärer Organellen vermittelt. Die V-ATPase-abhängige Organellenansäuerung ist für intrazelluläre Prozesse wie Proteinsortierung, Zymogenaktivierung, rezeptorvermittelte Endozytose und die Erzeugung eines Protonengradienten in synaptischen Vesikeln notwendig. Die V-ATPase besteht aus einer cytosolischen V1-Domäne und einer Transmembran-V0-Domäne. Die V1-Domäne setzt sich aus drei A- und drei B-Untereinheiten, zwei G-Untereinheiten sowie den Untereinheiten C, D, E, F und H zusammen. Sie enthält das katalytische Zentrum für ATP. Die V0-Domäne besteht aus fünf verschiedenen Untereinheiten: a, c, c', c'' und d. Weitere Isoformen vieler V1- und V0-Untereinheitenproteine werden durch mehrere Gene oder alternativ gespleißte Transkriptvarianten kodiert. Dieses Gen kodiert das D-Untereinheitenprotein der V1-Domäne. [bereitgestellt von RefSeq, Juli 2008] Funktion: Untereinheit des peripheren V1-Komplexes der Vakuolen-ATPase. Die Vakuolen-ATPase ist für die Ansäuerung verschiedener intrazellulärer Kompartimente in eukaryotischen Zellen verantwortlich und liefert somit den größten Teil der für Transportprozesse im Vakuolensystem benötigten Energie. Ähnlichkeit: Gehört zur Familie der V-ATPase-D-Untereinheiten. Untereinheit: Die V-ATPase ist ein heteromultimeres Enzym, das aus einem peripheren katalytischen V1-Komplex (Komponenten A bis H) besteht, der an einen integralen Membran-V0-Protonenporenkomplex (Komponenten: a, c, c', c'' und d) gebunden ist.

Forschungsbereich

Oxidative Phosphorylierung; *Vibrio cholerae*-Infektion; Epithelzellsignalisierung bei *Helicobacter pylori*-Infektion;

Bilddaten



Western-Blot-Analyse des ATP6V1D-Antikörpers. Die Spur rechts ist mit dem ATP6V1D-Peptid blockiert.