

Produktname: TudorSN Kaninchen-Polyclonal-Antikörper**Katalog-Nr.: APRab19429**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reaktivität	Mensch, Maus, Ratte
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Unverändert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Molekulargewicht	101kDa

Antigen-Informationen

Genname	SND1
Alternative Namen	SND1; TDRD11; Staphylococcal nuclease domain-containing protein 1; 100 kDa coactivator; EBNA2 coactivator p100; Tudor domain-containing protein 11; p100 co-activator
Gen-ID	27044.0
SwissProt ID	Q7KZF4
Immunogen	Synthetisiertes Peptid, das aus der internen Region des menschlichen TudorSN abgeleitet ist.

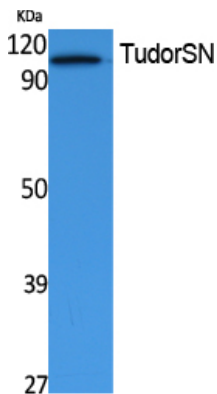
Hintergrund

Dieses Gen kodiert einen transkriptionellen Koaktivator, der mit der sauren Domäne des Epstein-Barr-Virus-Nuklearantigen 2 (EBNA2) interagiert, einem für die B-Lymphozyten-Transformation notwendigen Transkriptionsaktivator. Weitere Transkriptionsfaktoren, die mit diesem Protein interagieren, sind Signaltransduktoren und Aktivatoren der Transkription (STATs). Dieses Protein gilt zudem als essenziell für normales Zellwachstum. Ein ähnliches Protein ist in Säugetieren und anderen Organismen Bestandteil des RNA-induzierten Silencing-Komplexes (RISC). [bereitgestellt von RefSeq, Juli 2016] Funktion: Es fungiert als Bindeglied zwischen STAT6 und dem basalen Transkriptionsfaktor und spielt eine Rolle bei der PIM1-Regulation der MYB-Aktivität. Funktioniert als transkriptioneller Koaktivator für das Epstein-Barr-Virus-Nuklearantigen 2 (EBNA2). PTM: In vitro durch PIM1 phosphoryliert. Sequenzhinweis: Die Leserasterverschiebung führt zu einer fehlerhaften Initiierung. Ähnlichkeit: Enthält 1 Tudor-Domäne. Ähnlichkeit: Enthält 4 TNase-ähnliche Domänen. Subzelluläre Lokalisation: Koloalisiert in IL-4-stimulierten Zellen mit STAT6 im Zellkern. Identifiziert mittels Massenspektrometrie in Melanosomenfraktionen von Stadium I bis Stadium IV. Untereinheit: Bindet an die saure Transaktivierungsdomäne von EBNA2. Interagiert mit EAV NSP1. Interagiert mit GTF2E1 und GTF2E2. Bildet einen ternären Komplex mit STAT6 und POLR2A. Interagiert mit STAT5. Gewebespezifität: Ubiquitär exprimiert.

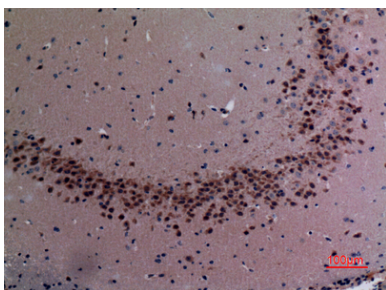
Forschungsbereich

-

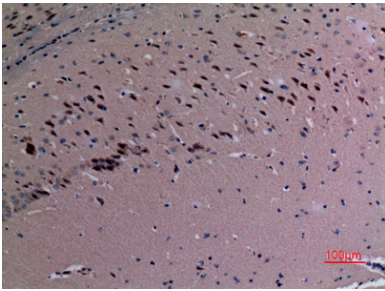
Bilddaten



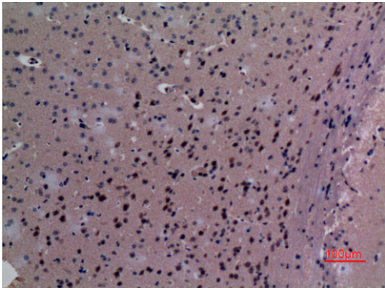
Western-Blot-Analyse von Extrakten aus Jurkat-Zellen unter Verwendung des polyklonalen Antikörpers TudorSN. Der Sekundäntikörper wurde 1:20000 verdünnt.



Immunhistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem Mausgehirn, Antikörperverdünnung 1:100



Immunohistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem Mausgehirn, Antikörperverdünnung 1:100



Immunohistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem Mausgehirn, Antikörperverdünnung 1:100