
Produktname: TIP60 Kaninchen-Polyclonal-Antikörper**Katalog-Nr.: APRab18963**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	IHC, ICC/IF, ELISA
Reaktivität	Mensch, Maus, Ratte
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Unverändert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar). Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis	IHC 1:50-1:200, ICC/IF 1:50-1:300, ELISA 1:2000-1:20000
Molekulargewicht	55kDa

Antigen-Informationen

Genname	KAT5 KAT5; HTATIP; TIP60; Histone acetyltransferase KAT5; 60 kDa Tat-interactive protein; Tip60;
Alternative Namen	Histone acetyltransferase HTATIP; HIV-1 Tat interactive protein; Lysine acetyltransferase 5; cPLA(2)-interacting protein
Gen-ID	10524.0
SwissProt ID	Q92993
Immunogen	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid, abgeleitet von humanem Tip60, hergestellt. Aminosäurebereich: 56–105

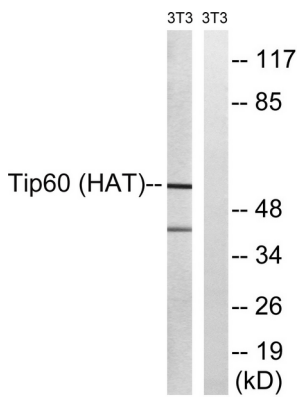
Hintergrund

Das von diesem Gen kodierte Protein gehört zur MYST-Familie der Histonacetyltransferasen (HATs) und wurde ursprünglich als HIV-1-TAT-interaktives Protein isoliert. HATs spielen eine wichtige Rolle bei der Regulation des Chromatin-Remodelings, der Transkription und anderer nukleärer Prozesse durch Acetylierung von Histon- und Nichthistonproteinen. Dieses Protein ist eine Histonacetylase, die an der DNA-Reparatur und Apoptose beteiligt ist und vermutlich eine wichtige Rolle in der Signaltransduktion spielt. Alternatives Spleißen dieses Gens führt zu mehreren Transkriptvarianten. [bereitgestellt von RefSeq, Juli 2008], negative Regulation der Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, Regulation der Zytokinproduktion, negative Regulation der Zytokinproduktion, DNA-Stoffwechselprozess, DNA-Reparatur, Reparatur von Doppelstrangbrüchen, Chromatinorganisation, Chromatinauf- und -abbau, Transkription, DNA-abhängige Regulation der Transkription, Regulation der Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, Protein-Aminosäureacetylierung, Reaktion auf DNA-Schadensreize, DNA-Schadensantwort, Signaltransduktion durch p53-Klasse-Mediatoren, die zur Transkription von p21-Klasse-Mediatoren führt, intrazelluläre Signalkaskade, negative Regulation von Biosyntheseprozessen, positive Regulation von Biosyntheseprozessen, Regulation spezifischer Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, negative Regulation spezifischer Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, positive Regulation von Makromolekül-Biosyntheseprozessen, negative Regulation von Makromolekül-Biosyntheseprozessen, positive Regulation von Makromolekül-Stoffwechselprozessen, negative Regulation von Makromolekül-Stoffwechselprozessen, positive Regulation von Genexpression, negative Regulation der Genexpression, negative Regulation der Transkription, Chromatinmodifikation, kovalente Chromatinmodifikation, Histonmodifikation, Histonacetylierung, DNA-Schadensantwort, Signaltransduktion durch p53-Klasse-Mediatoren, Steroidhormonrezeptor-Signalweg, Androgenrezeptor-Signalweg, intrazellulärer Rezeptor-vermittelter Signalweg, negative Regulation zellulärer Biosyntheseprozesse, positive Regulation zellulärer Biosyntheseprozesse, negative Regulation genspezifischer Transkription, Regulation genspezifischer Transkription, Regulation der Interleukin-2-Produktion, negative Regulation der Interleukin-2-Produktion, zelluläre Stressantwort, Wachstumsregulation, DNA-Schadensantwort, Signaltransduktion, DNA-Schadensantwort, Signaltransduktion mit Transkriptionsausgang, Protein-Aminosäureacetylierung, Regulation der Transkription, negative Regulation der Transkription, DNA-abhängig, positive Regulation der Transkription, DNA-abhängig, negative Regulation des Nucleobasen-, Nucleosid-, Nucleotid- und Nucleinsäurestoffwechsels, positive Regulation des Nucleobasen-, Nucleosid-, Nucleotid- und Nucleinsäurestoffwechsels Prozess, positive Regulation der Transkription, positive Regulation der Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, negative Regulation des Stickstoffverbindungsstoffwechsels, positive Regulation des Stickstoffverbindungsstoffwechsels, negative Regulation von Prozessen in vielzelligen Organismen, Regulation des RNA-Stoffwechsels, negative Regulation des RNA-Stoffwechsels, positive Regulation des RNA-Stoffwechsels, Chromosomenorganisation

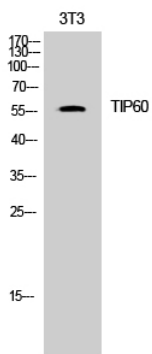
Forschungsbereich

Protein-Acetylierung

Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus NIH/3T3-Zellen, die 24 Stunden lang mit Nährstoffen gehungert wurden, unter Verwendung des Tip60-Antikörpers. Die Spur rechts ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.



Western-Blot-Analyse von 3T3-Zellen mit einem polyklonalen TIP60-Antikörper. Der Sekundäntikörper wurde 1:20000 verdünnt.