

---

**Produktname: TFIIH p44 Kaninchen-Polyclonal-Antikörper****Katalog-Nr.: APRab18832**

Nur für Forschungszwecke.

**Zusammenfassung**

<b>Beschreibung</b>	polyklonaler Kaninchenantikörper
<b>Host</b>	Kaninchen
<b>Anwendung</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reaktivität</b>	Mensch, Maus, Ratte
<b>Konjugation</b>	Unkonjugiert
<b>Modifikation</b>	Unverändert
<b>Isotyp</b>	IgG
<b>Klonalität</b>	Polyklonal
<b>Form</b>	Flüssig
<b>Konzentration</b>	1 mg/ml
<b>Lagerung</b>	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
<b>Versand</b>	Eisbeutel
<b>Puffer</b>	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
<b>Aufreinigung</b>	Affinitätsreinigung

**Anwendung**

<b>Verdünnungsverhältnis</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Molekulargewicht</b>	62kDa

**Antigen-Informationen**

<b>Genname</b>	GTF2H2 GTF2H2; BTF2P44; General transcription factor IIH subunit 2; Basic transcription factor 2 44
<b>Alternative Namen</b>	kDa subunit; BTF2 p44; General transcription factor IIH polypeptide 2; TFIIH basal transcription factor complex p44 subunit
<b>Gen-ID</b>	2966.0
<b>SwissProt ID</b>	Q13888
<b>Immunogen</b>	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid, abgeleitet von humanem TF2H2, hergestellt. Aminosäurebereich: 1-50

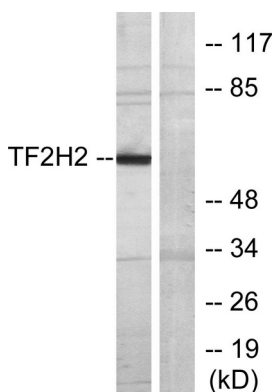
## Hintergrund

Dieses Gen ist Teil einer 500 kb großen invertierten Duplikation auf Chromosom 5q13. Diese duplizierte Region enthält mindestens vier Gene und repetitive Elemente, wodurch sie anfällig für Umlagerungen und Deletionen ist. Die Repetitivität und Komplexität der Sequenz haben zudem die Aufklärung der Organisation dieser genomischen Region erschwert. Das Gen befindet sich in der telomeren Kopie der Duplikation. Die Deletion dieses Gens tritt bei Patienten mit spinaler Muskelatrophie (SMA) gelegentlich zusammen mit der Deletion des benachbarten SMN1-Gens auf. Es ist jedoch unklar, ob die Deletion dieses Gens zum SMA-Phänotyp beiträgt. Dieses Gen kodiert die 44 kDa große Untereinheit des Transkriptionsinitiationsfaktors IIH der RNA-Polymerase II, der an der basalen Transkription und der Nukleotidexzisionsreparatur beteiligt ist. Es wurden Transkriptvarianten dieses Gens beschrieben, deren vollständige Länge jedoch noch nicht bestimmt wurde. Es können verschiedene Isoformen entstehen. Die Isoformen können auch durch unvollständige Genduplikation entstehen. Funktion: Bestandteil des basalen Transkriptionsfaktors Core-TFIIH, der an der Nukleotidexzisionsreparatur (NER) von DNA und, im Komplex mit CAK, an der RNA-Transkription durch die RNA-Polymerase II beteiligt ist. Der N-Terminus interagiert mit XPD und reguliert dieses, während ein intakter C-Terminus für das erfolgreiche Entkommen der RNA-Polymerase II vom Promotor erforderlich ist. Ähnlichkeit: Gehört zur GTF2H2-Familie. Ähnlichkeit: Enthält eine VWFA-Domäne. Untereinheit: Eine der sechs Untereinheiten des basalen Transkriptionsfaktors Core-TFIIH. Interagiert mit XPB, XPD, GTF2H1 und GTF2H3. Gewebespezifität: Weit verbreitet, mit höherer Expression im Skelettmuskel.

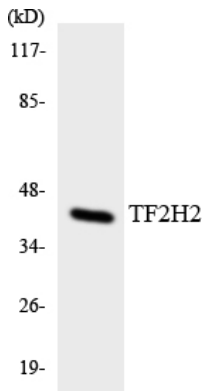
## Forschungsbereich

Basale Transkriptionsfaktoren; Nukleotidexzisionsreparatur;

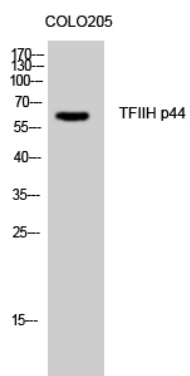
## Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus COLO205-Zellen unter Verwendung des TF2H2-Antikörpers. Die Spur rechts ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.



Western-Blot-Analyse der Lysate aus COLO205-Zellen unter Verwendung des TF2H2-Antikörpers.



Western-Blot-Analyse von COLO205-Zellen mit dem polyklonalen Antikörper TFIIH p44.