

**Produktname: p68 RNA-Helikase Kaninchen-Polyclonal-Antikörper****Katalog-Nr.: APRab15662**

Nur für Forschungszwecke.

**Zusammenfassung**

<b>Beschreibung</b>	polyklonaler Kaninchenantikörper
<b>Host</b>	Kaninchen
<b>Anwendung</b>	WB,ICC/IF,ELISA
<b>Reaktivität</b>	Mensch, Maus, Ratte
<b>Konjugation</b>	Unkonjugiert
<b>Modifikation</b>	Unverändert
<b>Isotyp</b>	IgG
<b>Klonalität</b>	Polyklonal
<b>Form</b>	Flüssig
<b>Konzentration</b>	1 mg/ml
<b>Lagerung</b>	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
<b>Versand</b>	Eisbeutel
<b>Puffer</b>	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
<b>Aufreinigung</b>	Affinitätsreinigung

**Anwendung**

<b>Verdünnungsverhältnis</b>	WB 1:500-1:2000,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Molekulargewicht</b>	70kDa

**Antigen-Informationen**

<b>Genname</b>	DDX5
<b>Alternative Namen</b>	DDX5; G17P1; HELR; HLR1; Probable ATP-dependent RNA helicase DDX5; DEAD box protein 5; RNA helicase p68
<b>Gen-ID</b>	1655.0
<b>SwissProt ID</b>	P17844
<b>Immunogen</b>	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid hergestellt, das vom humanen DDX5/DEAD-Box-Protein 5 abgeleitet ist. Aminosäurebereich: 565–614

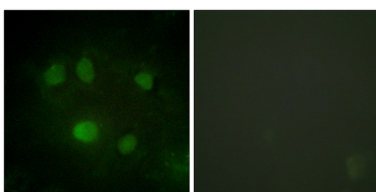
## Hintergrund

DEAD-Box-Proteine, charakterisiert durch das konservierte Motiv Asp-Glu-Ala-Asp (DEAD), sind mutmaßliche RNA-Helikasen. Sie sind an einer Reihe zellulärer Prozesse beteiligt, die die Veränderung der RNA-Sekundärstruktur betreffen, wie z. B. Translationsinitiation, nukleäres und mitochondriales Spleißen sowie die Assemblierung von Ribosomen und Spliceosom. Aufgrund ihrer Verteilungsmuster wird angenommen, dass einige Mitglieder dieser Familie an der Embryogenese, der Spermatogenese sowie am Zellwachstum und der Zellteilung beteiligt sind. Dieses Gen kodiert für ein DEAD-Box-Protein, eine RNA-abhängige ATPase und gleichzeitig ein proliferationsassoziiertes nukleäres Antigen, das spezifisch mit dem Tumorantigen des Simianvirus 40 reagiert. Alternatives Spleißen führt zu mehreren Transkriptvarianten. [bereitgestellt von RefSeq, Feb. 2016], Funktion: RNA-abhängige ATPase-Aktivität. Die ATP-Hydrolyse wird durch einzelsträngige RNA stark stimuliert. Könnte am prä-mRNA-Spleißen beteiligt sein.,PTM:Arg-502 ist dimethyliert, wahrscheinlich zu asymmetrischem Dimethylarginin.,Ähnlichkeit:Gehört zur DEAD-Box-Helikase-Familie.,Ähnlichkeit:Gehört zur DEAD-Box-Helikase-Familie. DDX5/DBP2-Subfamilie., Ähnlichkeit: Enthält 1 Helikase-ATP-Bindungsdomäne., Ähnlichkeit: Enthält 1 Helikase-C-terminale Domäne., Untereinheit: Identifiziert im Spliceosom-C-Komplex, besteht mindestens aus AQR, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE. PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRNP200, SNRNP40, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, XAB2 und ZCCHC8.,

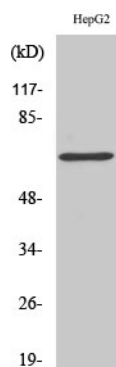
## Forschungsbereich

Spliceosom;

## Bilddaten



Immunfluoreszenzanalyse von HeLa-Zellen mit dem DDX5/DEAD-Box-Protein-5-Antikörper. Das Bild rechts zeigt eine Blockierung mit dem synthetisierten Peptid.



Western-Blot-Analyse verschiedener Zellen unter Verwendung eines polyklonalen Antikörpers gegen die p68-RNA-Helikase.