
Produktname: MRP-L47 Kaninchen-Polyclonal-Antikörper**Katalog-Nr.: APRab14132**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	WB,IHC
Reaktivität	Mensch, Ratte, Maus
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Unverändert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
Molekulargewicht	30kDa

Antigen-Informationen

Genname	MRPL47
Alternative Namen	MRPL47; NCM1; CGI-204; 39S ribosomal protein L47; mitochondrial; L47mt; MRP-L47; Nasopharyngeal carcinoma metastasis-related protein 1
Gen-ID	57129.0
SwissProt ID	Q9HD33
Immunogen	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid hergestellt, das vom humanen MRPL47 abgeleitet ist. Aminosäurebereich: 191–240

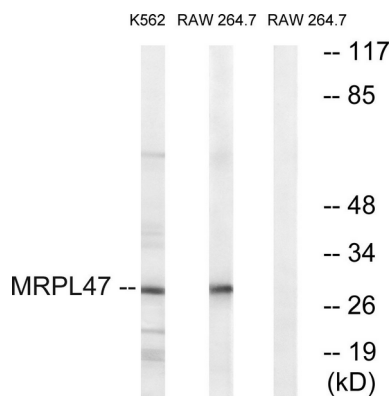
Hintergrund

Mitochondriale ribosomale Proteine von Säugetieren werden von Kerngenen kodiert und sind an der Proteinsynthese innerhalb der Mitochondrien beteiligt. Mitochondriale Ribosomen (Mitoribosomen) bestehen aus einer kleinen 28S- und einer großen 39S-Untereinheit. Ihr Protein-RNA-Verhältnis beträgt schätzungsweise 75 %, im Gegensatz zu prokaryotischen Ribosomen, bei denen dieses Verhältnis umgekehrt ist. Ein weiterer Unterschied zwischen Säugetier-Mitoribosomen und prokaryotischen Ribosomen besteht darin, dass letztere eine 5S-rRNA enthalten. Die Proteine des Mitoribosoms unterscheiden sich zwischen verschiedenen Spezies stark in ihrer Sequenz und teilweise auch in ihren biochemischen Eigenschaften, was eine einfache Erkennung anhand von Sequenzhomologie erschwert. Dieses Gen kodiert für ein 39S-Untereinheitprotein. Es liegt in unmittelbarer Nähe zum Gen für das 53 kDa große Untereinheitprotein α des BAF-Komplexes (BAF53a), in einer Schwanz-an-Schwanz-Anordnung. Zwei Transkriptvarianten, die für unterschiedliche Proteinisoformen kodieren, wurden identifiziert. Sequenzwarnung: Chimäre cDNA. Scheint einen Teil der orthologen Mausequenz zu enthalten. Ähnlichkeit: Gehört zur ribosomalen Proteinfamilie L47em.

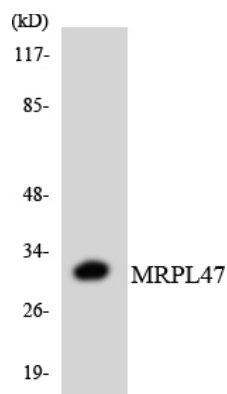
Forschungsbereich

-

Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus RAW264.7- und K562-Zellen unter Verwendung des MRPL47-Antikörpers. Die rechte Spur ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.



Western-Blot-Analyse der Lysate von 293-Zellen unter Verwendung des MRPL47-Antikörpers.