

---

**Produktname: HES-6 Kaninchen-polyklonaler Antikörper****Katalog-Nr.: APRab11995**

Nur für Forschungszwecke.

**Zusammenfassung**

<b>Beschreibung</b>	polyklonaler Kaninchenantikörper
<b>Host</b>	Kaninchen
<b>Anwendung</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reaktivität</b>	Mensch, Ratte, Maus
<b>Konjugation</b>	Unkonjugiert
<b>Modifikation</b>	Unverändert
<b>Isotyp</b>	IgG
<b>Klonalität</b>	Polyklonal
<b>Form</b>	Flüssig
<b>Konzentration</b>	1 mg/ml
<b>Lagerung</b>	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
<b>Versand</b>	Eisbeutel
<b>Puffer</b>	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
<b>Aufreinigung</b>	Affinitätsreinigung

**Anwendung**

<b>Verdünnungsverhältnis</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
<b>Molekulargewicht</b>	30kDa

**Antigen-Informationen**

<b>Genname</b>	HES6
<b>Alternative Namen</b>	HES6; BHLHB41; Transcription cofactor HES-6; C-HAIRY1; Class B basic helix-loop-helix protein 41; bHLHb41; Hairy and enhancer of split 6
<b>Gen-ID</b>	55502.0
<b>SwissProt ID</b>	Q96HZ4
<b>Immunogen</b>	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid, abgeleitet von humanem HES6, hergestellt. Aminosäurebereich: 1–50

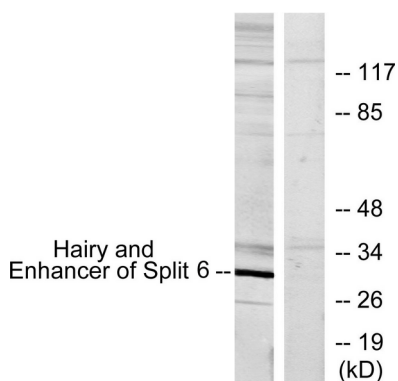
## Hintergrund

Dieses Gen kodiert für ein Mitglied einer Unterfamilie basischer Helix-Loop-Helix-Transkriptionsrepressoren, die Homologie zum Drosophila-Enhancer-of-split-Gen aufweisen. Mitglieder dieser Genfamilie regulieren die Zelldifferenzierung in zahlreichen Zelltypen. Das von diesem Gen kodierte Protein fungiert als Cofaktor und interagiert über eine Tetrapeptidomäne an seinem C-Terminus mit anderen Transkriptionsfaktoren. Alternativ gespleißte Transkriptvarianten, die für verschiedene Isoformen kodieren, wurden beschrieben. [bereitgestellt von RefSeq, Dez. 2008] Domäne: Besitzt eine spezielle basische Domäne (Vorhandensein eines die Helix unterbrechenden Prolins), die an die N-Box (CACNAG) bindet, anstatt an die kanonische E-Box (CANNTG). Domäne: Das C-terminale WRPW-Motiv ist eine Transkriptionsrepressionsdomäne, die für die Interaktion mit Mitgliedern der Groucho/TLE-Familie notwendig ist. Diese Transkriptions-Korepressoren werden durch Hairy-verwandte Proteine an spezifische Ziel-DNA rekrutiert. Funktion: Bindet nicht selbst an DNA, sondern unterdrückt sowohl die HES1-vermittelte, N-Box-abhängige Transkriptionsrepression als auch die Bindung von HES1 an E-Box-Sequenzen. Außerdem unterdrückt es die HES1-vermittelte Hemmung des Heterodimers aus ASCL1/MASH1 und TCF3/E47, wodurch ASCL1 und TCF3 in seiner Gegenwart die Transkription hochregulieren können. Fördert die Zelldifferenzierung. Ähnlichkeit: Enthält eine basische Helix-Loop-Helix (bHLH)-Domäne. Ähnlichkeit: Enthält eine Orange-Domäne. Untereinheit: Die Transkriptionsrepression erfordert die Bildung eines Komplexes mit einem Corepressorprotein der Groucho/TLE-Familie. Interagiert mit HES1.

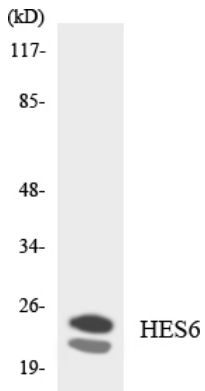
## Forschungsbereich

-

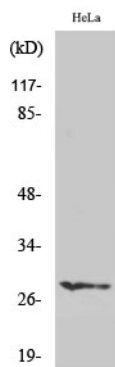
## Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus HeLa-Zellen unter Verwendung des HES6-Antikörpers. Die Spure rechts ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.



Western-Blot-Analyse der Lysate von 293-Zellen unter Verwendung des HES6-Antikörpers.



Western-Blot-Analyse verschiedener Zellen unter Verwendung von HES-6 polyklonalen Antikörpern in einer Verdünnung von 1:1000.