

**Produktname: ARHGAP17 Kaninchen-Polyclonal-Antikörper****Katalog-Nr.: APRab07122**

Nur für Forschungszwecke.

**Zusammenfassung**

<b>Beschreibung</b>	polyklonaler Kaninchenantikörper
<b>Host</b>	Kaninchen
<b>Anwendung</b>	WB,ELISA
<b>Reaktivität</b>	Mensch, Maus, Ratte
<b>Konjugation</b>	Unkonjugiert
<b>Modifikation</b>	Unverändert
<b>Isotyp</b>	IgG
<b>Klonalität</b>	Polyklonal
<b>Form</b>	Flüssig
<b>Konzentration</b>	1 mg/ml
<b>Lagerung</b>	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
<b>Versand</b>	Eisbeutel
<b>Puffer</b>	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
<b>Aufreinigung</b>	Affinitätsreinigung

**Anwendung**

<b>Verdünnungsverhältnis</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Molekulargewicht</b>	100kDa

**Antigen-Informationen**

<b>Genname</b>	ARHGAP17
<b>Alternative Namen</b>	ARHGAP17; RICH1; MSTP066; MSTP110; Rho GTPase-activating protein 17; Rho-type GTPase-activating protein 17; RhoGAP interacting with CIP4 homologs protein 1; RICH-1
<b>Gen-ID</b>	55114.0
<b>SwissProt ID</b>	Q68EM7
<b>Immunogen</b>	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid hergestellt, das vom humanen RHG17 abgeleitet ist. Aminosäurebereich: 331–380

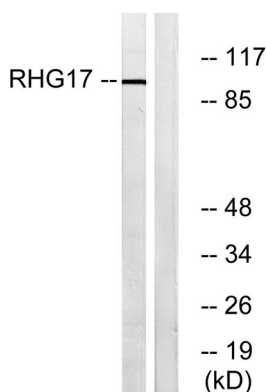
## Hintergrund

RICH1 ist ein GTPase-aktivierendes Protein (GAP). GAPs stimulieren die intrinsische GTP-Hydrolyse kleiner G-Proteine wie RHOA (MIM 165390), RAC1 (MIM 602048) und CDC42 (MIM 116952). [bereitgestellt von OMIM, Apr. 2004] Domäne: Die BAR-Domäne vermittelt die Interaktion mit der Coiled-Coil-Domäne von AMOT und führt so zu dessen Rekrutierung an Tight Junctions. Funktion: Als Rho-GTPase-aktivierendes Protein ist RICH1 an der Aufrechterhaltung von Tight Junctions beteiligt, indem es die Aktivität von CDC42 reguliert und dadurch eine zentrale Rolle in der apikalen Polarität von Epithelzellen spielt. Es wirkt spezifisch als GTPase-Aktivator für die CDC42-GTPase, indem es diese in einen inaktiven, GDP-gebundenen Zustand überführt. Der mit AMOT gebildete Komplex reguliert die Aufnahme von Polaritätsproteinen an Tight Junctions, möglicherweise indem er entscheidet, ob Tight-Junction-Transmembranproteine zur Plasmamembran zurückgeführt oder anderweitig transportiert werden. Er ist an der  $Ca^{2+}$ -abhängigen Regulation der Exozytose beteiligt, möglicherweise durch Katalyse der GTPase-Aktivität von Rho-Familienproteinen und durch Induktion der Reorganisation kortikaler Aktinfilamente. In vitro wirkt er als GTPase-Aktivator für RAC1. Ähnlichkeit: Enthält eine BAR-Domäne. Ähnlichkeit: Enthält eine Rho-GAP-Domäne. Subzelluläre Lokalisation: Assoziiert mit Membranen und konzentriert sich an Zell-Zell-Kontaktstellen. Untereinheit: Bestandteil eines Komplexes, dessen Kern aus ARHGAP17, AMOT, MPP5/PALS1, INADL/PATJ und PARD3/PAR3 besteht. Interagiert mit SLC9A3R1, FNBP1, TRIP10, CAPZA (CAPZA1, CAPZA2 oder CAPZA3), CAPZB, CD2AP und SH3KBP1/CIN85. Gewebespezifität: Ubiquitär exprimiert. Höhere Expression in Herz und Plazenta.

## Forschungsbereich

-

## Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus LOVO-Zellen unter Verwendung des RHG17-Antikörpers. Die Spure rechts ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.