

Produktname: AK6 Kaninchen-polyklonaler Antikörper**Katalog-Nr.: APRab06716**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reaktivität	Mensch, Maus, Ratte
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Unverändert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
Molekulargewicht	20kDa

Antigen-Informationen

Genname	
Alternative Namen	TAF9; AK6; CINAP; AD-004; CGI-137; Adenylate kinase isoenzyme 6; ATP-AMP transphosphorylase 6; Coilin-interacting nuclear ATPase protein; hCINAP
Gen-ID	6880.0
SwissProt ID	Q9Y3D8
Immunogen	Das Antiserum wurde gegen ein synthetisches Peptid, abgeleitet von humanem KAD6, hergestellt. Aminosäurebereich: 11-60

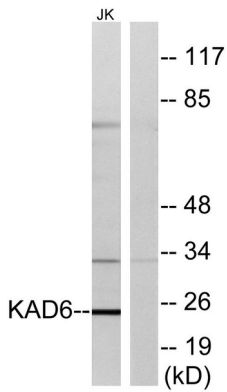
Hintergrund

Adenylatkinase 6 (AK6) Homo sapiens. Dieses Gen kodiert für ein Protein aus der Familie der Adenylatkinasen. Das Protein ist im Zellkern lokalisiert und enthält Walker-A- (P-Schleife) und Walker-B-Motive sowie einen metallbindenden Rest. Es ist möglicherweise an der Regulation der Cajal-Körper-Bildung beteiligt. Beim Menschen sind AK6 und TAF9 (GeneID: 6880) zwei unterschiedliche Gene mit gemeinsamen 5'-Exons. Alternatives Spleißen führt zu mehreren Transkriptvarianten. [bereitgestellt von RefSeq, Sep 2013], Regulation des Zellwachstums, Chromatinorganisation, Transkription, DNA-abhängige Transkription, Transkriptionsinitiierung, RNA-Elongation, Regulation der DNA-abhängigen Transkription, Regulation der Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, Transkriptionsinitiierung vom RNA-Polymerase-II-Promotor, RNA-Elongation vom RNA-Polymerase-II-Promotor, Proteinkomplexbildung, Protein-Aminosäureacetylierung, Regulation der Zellgröße, positive Regulation biosynthetischer Prozesse, Regulation kataboler Prozesse, negative Regulation kataboler Prozesse, Reaktion auf organische Substanzen, Regulation spezifischer Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, positive Regulation spezifischer Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, positive Regulation der Makromolekül-Biosynthese, positive Regulation des Makromolekül-Stoffwechsels, negative Regulation des Makromolekül-Stoffwechsels, positive Regulation der Genexpression, Regulation des Zelltods, kovalente Chromatinmodifikation Chromatinmodifikation, Histonmodifikation, Histonacetylierung, Regulation der Proteolyse, positive Regulation des Zellwachstums, positive Regulation zellulärer Biosyntheseprozesse, Regulation zellulärer Katabolismusprozesse, negative Regulation zellulärer Katabolismusprozesse, Regulation des zellulären Proteinstoffwechsels, negative Regulation des zellulären Proteinstoffwechsels, Regulation des proteasomalen, ubiquitinabhängigen Proteinabbaus, negative Regulation des proteasomalen, ubiquitinabhängigen Proteinabbaus, Regulation der Größe zellulärer Komponenten, Regulation der genspezifischen Transkription, RNA-Biosynthese, Reaktion auf Zytokinstimuli, zelluläre Reaktion auf DNA-Schadensstimuli, Wachstumsregulation, Regulation des Proteinabbaus, negative Regulation des Proteinabbaus, Regulation der Apoptose, negative Regulation der Apoptose, Regulation des programmierten Zelltods, negative Regulation des programmierten Zelltods, positive Regulation der genspezifischen Transkription, Aminosäureacylierung von Proteinen, Untereinheit eines makromolekularen Komplexes Organisation, Histon-H3-Acetylierung, Regulation der Transkription, positive Regulation der Zellgröße, negative Regulation der Proteolyse, positive Regulation der DNA-abhängigen Transkription, positive Regulation des Wachstums, positive Regulation des Stoffwechsels von Nucleobasen, Nucleosiden, Nucleotiden und Nucleinsäuren, positive Regulation der Transkription, positive Regulation der Transkription vom RNA-Polymerase-II-Promotor, positive Regulation der Reaktion auf Stimuli, positive Regulation des Stickstoffverbindungsstoffwechsels, negative Regulation des Proteinstoffwechsels, Regulation des RNA-Stoffwechsels, positive Regulation des RNA-Stoffwechsels, Chromosomenorganisation, negative Regulation des Zelltods, Regulation der Reaktion auf Zytokinstimuli, positive Regulation der Reaktion auf Zytokinstimuli, Zusammenbau makromolekularer Komplexe, Biogenese von Proteinkomplexen, Reaktion auf Interleukin-1

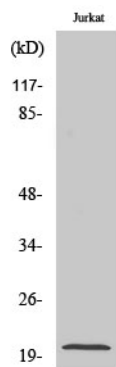
Forschungsbereich

Basale Transkriptionsfaktoren;

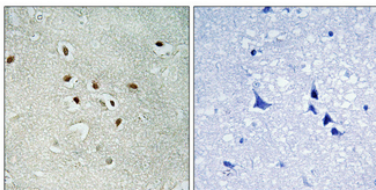
Bilddaten



Western-Blot-Analyse von Lysaten aus Jurkat-Zellen unter Verwendung des KAD6-Antikörpers. Die Spur rechts ist mit dem synthetisierten Peptid blockiert.



Western-Blot-Analyse verschiedener Zellen unter Verwendung des polyklonalen AK6-Antikörpers



Immunohistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem menschlichem Gehirn. Der Antikörper wurde 1:100 verdünnt (4 °C, über Nacht). Zur Antigenrückgewinnung wurde Tris-EDTA-Puffer (pH 8,0) unter hohem Druck und hoher Temperatur verwendet. Die Negativkontrolle (rechts) wurde durch Präadsorption des Antikörpers mit Immunogenpeptid erhalten.