

**Produktname: ADAMTS-12 Kaninchen-Polyclonal-Antikörper****Katalog-Nr.: APRab06596**

Nur für Forschungszwecke.

**Zusammenfassung**

<b>Beschreibung</b>	polyklonaler Kaninchenantikörper
<b>Host</b>	Kaninchen
<b>Anwendung</b>	IHC, ICC/IF, ELISA
<b>Reaktivität</b>	Mensch, Ratte, Maus
<b>Konjugation</b>	Unkonjugiert
<b>Modifikation</b>	Unverändert
<b>Isotyp</b>	IgG
<b>Klonalität</b>	Polyklonal
<b>Form</b>	Flüssig
<b>Konzentration</b>	1 mg/ml
<b>Lagerung</b>	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar). Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
<b>Versand</b>	Eisbeutel
<b>Puffer</b>	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
<b>Aufreinigung</b>	Affinitätsreinigung

**Anwendung**

**Verdünnungsverhältnis** IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:10000-1:20000

**tnis**

**Molekulargewicht**

**Antigen-Informationen**

<b>Genname</b>	ADAMTS12
<b>Alternative Namen</b>	ADAMTS12; A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 12; ADAM-TS 12; ADAM-TS12; ADAMTS-12
<b>Gen-ID</b>	81792.0
<b>SwissProt ID</b>	P58397
<b>Immunogen</b>	Synthetisiertes Peptid, abgeleitet von ADAMTS-12, Aminosäurebereich: 1100-1180

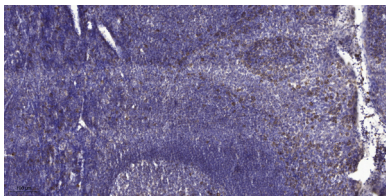
**Hintergrund**

Dieses Gen kodiert für ein Mitglied der ADAMTS-Proteinfamilie (A Disintegrin and Metalloproteinase with Thrombospondin Motifs). Mitglieder dieser Familie weisen mehrere distinkte Proteinmodule auf, darunter eine Propeptidregion, eine Metalloproteinase-Domäne, eine Disintegrin-ähnliche Domäne und ein Thrombospondin-Typ-1-Motiv (TS-1). Die einzelnen Mitglieder dieser Familie unterscheiden sich in der Anzahl der C-terminalen TS-1-Motive, und einige besitzen einzigartige C-terminale Domänen. Das von diesem Gen kodierte Enzym enthält acht TS-1-Motive. Es könnte in Lungenzellen während der fetalen Entwicklung oder in Tumorprozessen durch seine proteolytische Aktivität oder als potenziell an der Regulation der Zelladhäsion beteiligtes Molekül eine Rolle spielen. [bereitgestellt von RefSeq, Juli 2008], Cofaktor: Bindet 1 Zinkion pro Untereinheit., Domäne: Das konservierte Cystein im Cystein-Switch-Motiv bindet das katalytische Zinkion und hemmt dadurch das Enzym. Die Abspaltung des Cysteins vom Zinkion nach Freisetzung des Aktivierungspeptids aktiviert das Enzym. Die Spacer-Domäne und die TSP-Typ-1-Domänen sind wichtig für eine enge Interaktion mit der extrazellulären Matrix. Das Protein durchläuft einen intrazellulären Reifungsprozess, der ein 120 kDa großes N-terminales Fragment mit der Metalloproteinase-Domäne, Disintegrin, einer TSP-Typ-1-Domäne und den Cystein-reichen Domänen sowie ein 83 kDa großes C-terminales Fragment mit der Spacer-2-Domäne und vier TSP-Typ-1-Domänen ergibt. Die Vorstufe wird durch eine Furin-Endopeptidase gespalten. Das Protein enthält eine Disintegrin-Domäne, eine Peptidase-M12B-Domäne, eine PLAC-Domäne und acht TSP-Typ-1-Domänen. Es wird ausschließlich in der fetalen Lunge exprimiert. Wird in Magenkarzinomen und in Krebszellen unterschiedlicher Herkunft weit verbreitet exprimiert.

## Forschungsbereich

-

## Bilddaten



Immunhistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem menschlichem Tonsillengewebe. 1. Der Antikörper wurde 1:200 verdünnt (über Nacht bei 4 °C inkubiert). 2. Zur Antigenrückgewinnung wurde Tris-EDTA (pH 9,0) verwendet. 3. Der Sekundärantikörper wurde 1:200 verdünnt (30 Minuten bei Raumtemperatur inkubiert).